

14.12.2004

日 本 国 特 許 庁
JAPAN PATENT OFFICE

別紙添付の書類に記載されている事項は下記の出願書類に記載されている事項と同一であることを証明する。

This is to certify that the annexed is a true copy of the following application as filed with this Office.

出 願 年 月 日 2 0 0 3 年 1 2 月 3 日
Date of Application:

出 願 番 号 特 願 2 0 0 3 - 4 0 5 2 6 9
Application Number:
[ST. 10/C]: [J P 2 0 0 3 - 4 0 5 2 6 9]

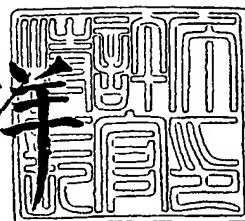
出 願 人 中 外 製 薬 株 式 有 限 公 司
Applicant(s):

2 0 0 5 年 1 月 2 7 日

特許庁長官
Commissioner,
Japan Patent Office

小 川

洋



BEST AVAILABLE COPY

【書類名】 特許願
【整理番号】 C1-A0311
【提出日】 平成15年12月 3日
【あて先】 特許庁長官殿
【発明者】
 【住所又は居所】 茨城県新治郡新治村永井 1 5 3 - 2 中外製薬株式会社内
 【氏名】 角田 浩行
【発明者】
 【住所又は居所】 茨城県新治郡新治村永井 1 5 3 - 2 中外製薬株式会社内
 【氏名】 羽生 清
【特許出願人】
 【識別番号】 000003311
 【氏名又は名称】 中外製薬株式会社
【代理人】
 【識別番号】 100102978
 【弁理士】
 【氏名又は名称】 清水 初志
【選任した代理人】
 【識別番号】 100108774
 【弁理士】
 【氏名又は名称】 橋本 一憲
【手数料の表示】
 【予納台帳番号】 041092
 【納付金額】 21,000円
【提出物件の目録】
 【物件名】 特許請求の範囲 1
 【物件名】 明細書 1
 【物件名】 図面 1
 【物件名】 要約書 1
 【包括委任状番号】 0216136

【書類名】 特許請求の範囲**【請求項 1】**

エンハンサーに哺乳類 β アクチンプロモーターが機能的に結合したDNA構築物。

【請求項 2】

エンハンサーがサイトメガロウイルス (CMV) である請求項 1 に記載のDNA構築物。

【請求項 3】

エンハンサーがWoodchuck Hepatitis Virus Posttranscriptional Regulatory Element (WPRE) である請求項 1 に記載のDNA構築物。

【請求項 4】

哺乳類 β アクチンプロモーターがげっ歯類 β アクチンプロモーターである、請求項 1 から 3 のいずれかに記載のDNA構築物。

【請求項 5】

CMVエンハンサーが配列番号：4 に記載の塩基配列からなり、哺乳類 β アクチンプロモーターが配列番号：2 に記載の塩基配列からなる、請求項 2 に記載のDNA構築物。

【請求項 6】

Woodchuck Hepatitis Virus Posttranscriptional Regulatory Element (WPRE) が配列番号：3 に記載の塩基配列からなり、哺乳類 β アクチンプロモーターが配列番号：2 に記載の塩基配列からなる、請求項 3 に記載のDNA構築物。

【請求項 7】

請求項 1 から 6 のいずれかに記載のDNA構築物を含むベクター。

【請求項 8】

哺乳類 β アクチンプロモーターの下流に所望のDNAが機能的に結合されたDNAを有する請求項 7 に記載のベクター。

【請求項 9】

トランスアクティベーターをコードするDNAを発現可能に保持する、請求項 7 または 8 に記載のベクター。

【請求項 10】

トランスアクティベーターが癌遺伝子産物である請求項 9 に記載のベクター。

【請求項 11】

癌遺伝子産物がRasである、請求項 10 に記載のベクター。

【請求項 12】

所望のDNAが、所望のタンパク質をコードするDNAである、請求項 8 から 11 のいずれかに記載のベクター。

【請求項 13】

請求項 8 から 12 のいずれかに記載のベクターを保持する細胞。

【請求項 14】

請求項 8 から 12 のいずれかに記載のベクターを保持し、癌遺伝子が活性化している細胞。

【請求項 15】

癌遺伝子が活性化している細胞が、トランスアクティベーターをコードする遺伝子を含むベクターが導入された細胞である請求項 14 に記載の細胞。

【請求項 16】

癌遺伝子が活性化している細胞が、癌化している細胞である請求項 14 に記載の細胞。

【請求項 17】

哺乳動物細胞である、請求項 13 から 16 のいずれかに記載の細胞。

【請求項 18】

げっ歯類細胞である、請求項 17 に記載の細胞。

【請求項 19】

β アクチンプロモーターと同じ動物目であることを特徴とする請求項 13 から 18 のいずれかに記載の細胞。

【請求項 20】

β アクチンプロモーターと同じ動物種であることを特徴とする請求項 19 に記載の細胞。

【請求項 21】

請求項 8 から 12 のいずれかに記載のベクターが導入されたトランスジェニック非ヒト動物。

【請求項 22】

請求項 8 から 12 のいずれかに記載のベクターが導入された全能性細胞。

【請求項 23】

請求項 12 に記載のベクターを保持する細胞を培養し、培養した細胞又は培地から発現させたタンパク質を回収することを含む、所望のタンパク質の製造方法。

【請求項 24】

培地にトランスアクティベーターを添加することを含む、請求項 23 に記載の方法。

【請求項 25】

請求項 8 から 12 のいずれかに記載のベクターを、ベクター上の β アクチンプロモーターと同じ動物目由来の宿主細胞に導入することを含む、宿主細胞において所望の DNA を発現させる方法。

【請求項 26】

請求項 8 から 12 のいずれかに記載のベクターを、ベクター上の β アクチンプロモーターと同じ動物種由来の宿主細胞に導入することを含む、宿主細胞において所望の DNA を発現させる方法。

【請求項 27】

請求項 8 に記載のベクターおよびトランスアクティベーターをコードする DNA を発現可能に保持するベクターを、請求項 8 に記載のベクター上の β アクチンプロモーターと同種由来の宿主細胞に導入することを含む、宿主細胞における所望の DNA を発現させる方法。

【請求項 28】

宿主細胞が哺乳動物細胞である、請求項 25 から 27 のいずれかに記載の方法。

【請求項 29】

宿主細胞がげっ歯類細胞である、請求項 25 から 27 のいずれかに記載の方法。

【請求項 30】

宿主細胞と同じ動物目由来の β アクチンプロモーターを所望の DNA の上流に組み込むことを特徴とする、所望の DNA の発現量を増加させる方法。

【請求項 31】

宿主細胞と同じ動物種由来の β アクチンプロモーターを所望の DNA の上流に組み込むことを特徴とする、所望の DNA の発現量を増加させる方法。

【請求項 32】

エンハンサーをさらに組み込むことを特徴とする請求項 30 もしくは 31 に記載の方法。

【請求項 33】

エンハンサーが Woodchuck Hepatitis Virus Posttranscriptional Regulatory Element (WPRE) である請求項 32 に記載の方法。

【請求項 34】

エンハンサーが CMV エンハンサーである請求項 32 に記載の方法。

【請求項 35】

トランスアクティベーターをコードする遺伝子を組み込むことを特徴とする請求項 30 から 34 のいずれかに記載の方法。

【請求項 36】

宿主細胞が哺乳動物細胞である請求項 30 から 35 のいずれかに記載の方法。

【請求項 37】

宿主細胞がげっ歯類細胞である請求項 30 から 35 のいずれかに記載の方法。

【書類名】明細書

【発明の名称】哺乳類 β アクチンプロモーターを利用した発現系

【技術分野】

【0001】

本発明は、組換えタンパク質の産生における、より強力なプロモーターおよび、それらを保持するベクターの開発に関する。

【背景技術】

【0002】

近年、多くのバイオ製剤が輩出されているが、こうした医薬品の多くが動物細胞に遺伝子を導入し、組換えタンパク質として産生させたものである。こうした組換えタンパク質を効率よく動物細胞に産生させる技術は、バイオ製剤の低コスト化につながり、患者への安定な供給を約束する。

【0003】

従来は、EF1 α (elongation factor 1) プロモーターやSR α プロモーターなどが、そうした発現ベクターに用いられてきた(特許文献1, 非特許文献1,2)。また、最近ではさらに発現の改良が進み、CAGプロモーター(ヒトCMVエンハンサーにニワトリの β アクチンプロモーターを組み合わせたもの)や、CEFプロモーター(ヒトCMVエンハンサーにヒトEF1 α プロモーター)などの強力なプロモーターが作られ、こうした用途に使われるようになってきた(非特許文献3~5)。

【0004】

しかしながら、さらに強力なプロモーターを保持するベクターの開発の必要性はいまなお存在し、これによりバイオ製剤のより一層の低コスト化や安定な供給に大きく貢献できるものと考えられる。

【特許文献1】W092/19759

【非特許文献1】Mol. Cell. Biol., Vol.8 (1), p.466-472, 1988

【非特許文献2】Gene, Vol.87(2), p.291-294, 1990

【非特許文献3】Gene, Vol.272, p.149-156, 2001

【非特許文献4】Analytical Biochemistry, Vol.247, p.179-181, 1997

【非特許文献5】Gene, Vol.108, p.193-200, 1991

【発明の開示】

【発明が解決しようとする課題】

【0005】

本発明は、このような状況に鑑みてなされたものであり、その目的は既存の動物細胞発現プロモーターよりも強力なプロモーターと、それを利用したベクターの提供である。また、本発明は、該ベクターを利用した、所望タンパク質の製造方法および所望のDNAの発現方法の開発をも目的とする。

【課題を解決するための手段】

【0006】

本発明者らは、上記の課題を解決すべく、様々な遺伝子のプロモーターやエンハンサーの組み合わせによるプロモーター活性の比較、検討を行った。

【0007】

まず、NCBI、及びJackson laboratoryで公開されているマウスゲノム情報より、マウス β アクチンのシーケンス情報を得て、PCRによってマウス β アクチンの5'領域を増幅した。増幅したPCR産物をpGEM-T-Easy vectorにクローニングし、シーケンスすることによって塩基配列を確認した。その後、PCRによりマウス β アクチンのプロモーター領域のみを増幅し、pGL3-BasicのBgl II-Hind IIIサイトに組み込んだ。さらにこのベクターに、ネオマイシン耐性遺伝子を導入し、pmAct-Luc-neoとした。

【0008】

Woodchuck hepatitis virusゲノム配列の転写後調節領域(WPRE)をPCRにより増幅し、反応産物をpGEM-T-Easy vectorにクローニングし、塩基配列を決定した。さらにこのpGEM-T

/WPREをXbaIで消化し、得られたWPRE断片をpmAct-Luc-neoのXbaI部位に挿入し、pmAct-WPRE-Luc-neoを作製した。

【0009】

次にpGL3-BasicベクターのMCS (multi cloning site: 配列5位~53位) にCMVエンハンサー領域を組み込むことによって発現ベクターのpmAct-Luc-neoを、あるいはさらにヒトCMVエンハンサー-マウス β アクチンプロモーターを組み込むことによって発現ベクターのp hCMV-mAct-Luc-neoを完成させた(図1)。

【0010】

比較対象となるベクターとして、ヒトEF1 α プロモーターはDHFR- Δ E-RVh-PM1-f (参考文献 W092/19759) よりCMVエンハンサーと共にpGLNベクターのMCSに組み込むことで、pCEF-Luc-neoを作製した(図1)。

【0011】

これらのベクターをそれぞれCHO細胞へ導入し、CO₂インキュベーター内で2日間培養して、ルシフェラーゼ活性をLuciferase Assay Systemを用いて測定した。これらの測定の結果より、作製したpmAct-Luc-neoが他のベクターよりも有意に活性が高いことが明らかになった(図2)。以上のことから、本発明であるマウス β アクチンプロモーターは、既存のCEFプロモーターよりも強力であることが示された。さらに、WPREエレメントの付加や、あるいはCMVエンハンサーを付加することによって、マウス β アクチンのプロモーター活性が有意に亢進することも明らかになった(図3)。

【0012】

さらに、トランスアクティベーターを同時に発現させた場合の効果について検討した。マウスc-H-ras遺伝子、マウス活性型c-H-ras及びヒト活性型K-rasのクローニングを行い、pCXNベクターに組み込んで、それぞれをpCXN-H-Ras (マウスc-H-ras)、pCXN-A-H-Ras (マウス活性型c-H-ras)、及びpCXN-A-K-Ras (ヒト活性型K-ras) とした。様々な割合で2種類、あるいは3種類のベクターをCHO細胞に導入し、ルシフェラーゼ活性を測定した。これらの結果より、pmAct-Luc-neoがpCXN-H-Ras (マウスc-H-ras)、pCXN-A-H-Ras (マウス活性型c-H-ras)、及びpCXN-A-K-Ras (ヒト活性型c-K-ras) の存在によって、プロモーター活性が亢進することが明らかになった(図4)。以上のことから、本発明のマウス β アクチンプロモーターは、癌遺伝子産物のRas (活性型、野生型、H-Ras、K-Rasを問わない) によってより強力な活性を付与されることが示された。

【0013】

即ち、本発明者らは、CMVエンハンサーと哺乳類 β アクチンプロモーター、もしくはWoodchuck Hepatitis Virusゲノム配列の転写後調節領域(WPRE)と哺乳類 β アクチンプロモーターの組み合わせが、強力なプロモーターになりうることを見出した。さらに、これらのプロモーターを保持した発現系は、トランスアクティベーターである癌遺伝子産物のRasの同時発現によって、さらに発現活性が高められることを見出し、本発明の完成に至った。

【0014】

本発明は、より具体的には、以下の〔1〕～〔37〕に関する。

〔1〕 エンハンサーに哺乳類 β アクチンプロモーターが機能的に結合したDNA構築物

〔2〕 エンハンサーがサイトメガロウイルス (CMV) である〔1〕に記載のDNA構築物

〔3〕 エンハンサーがWoodchuck Hepatitis Virus Posttranscriptional Regulatory Element(WPRE)である〔1〕に記載のDNA構築物。

〔4〕 哺乳類 β アクチンプロモーターがげっ歯類 β アクチンプロモーターである、〔1〕から〔3〕のいずれかに記載のDNA構築物。

〔5〕 CMVエンハンサーが配列番号: 4に記載の塩基配列からなり、哺乳類 β アクチンプロモーターが配列番号: 2に記載の塩基配列からなる、〔2〕に記載のDNA構築物。

〔6〕 Woodchuck Hepatitis Virus Posttranscriptional Regulatory Element(WPRE)

が配列番号: 3 に記載の塩基配列からなり、哺乳類 β アクチンプロモーターが配列番号: 2 に記載の塩基配列からなる、〔3〕に記載のDNA構築物。

〔7〕 〔1〕から〔6〕のいずれかに記載のDNA構築物を含むベクター。

〔8〕 哺乳類 β アクチンプロモーターの下流に所望のDNAが機能的に結合されたDNAを有する〔7〕に記載のベクター。

〔9〕 トランスアクティベーターをコードするDNAを発現可能に保持する、〔7〕または〔8〕に記載のベクター。

〔10〕 トランスアクティベーターが癌遺伝子産物である〔9〕に記載のベクター。

〔11〕 癌遺伝子産物がRasである、〔10〕に記載のベクター。

〔12〕 所望のDNAが、所望のタンパク質をコードするDNAである、〔8〕から〔11〕のいずれかに記載のベクター。

〔13〕 〔8〕から〔12〕のいずれかに記載のベクターを保持する細胞。

〔14〕 〔8〕から〔12〕のいずれかに記載のベクターを保持し、癌遺伝子が活性化している細胞。

〔15〕 癌遺伝子が活性化している細胞が、トランスアクティベーターをコードする遺伝子を含むベクターが導入された細胞である〔14〕に記載の細胞。

〔16〕 癌遺伝子が活性化している細胞が、癌化している細胞である〔14〕に記載の細胞。

〔17〕 哺乳動物細胞である、〔13〕から〔16〕のいずれかに記載の細胞。

〔18〕 げっ歯類細胞である、〔17〕に記載の細胞。

〔19〕 β アクチンプロモーターと同じ動物目であることを特徴とする〔13〕から〔18〕のいずれかに記載の細胞。

〔20〕 β アクチンプロモーターと同じ動物種であることを特徴とする〔19〕に記載の細胞。

〔21〕 〔8〕から〔12〕のいずれかに記載のベクターが導入されたトランスジェニック非ヒト動物。

〔22〕 〔8〕から〔12〕のいずれかに記載のベクターが導入された全能性細胞。

〔23〕 〔12〕に記載のベクターを保持する細胞を培養し、培養した細胞又は培地から発現させたタンパク質を回収することを含む、所望のタンパク質の製造方法。

〔24〕 培地にトランスアクティベーターを添加することを含む、〔23〕に記載の方法。

〔25〕 〔8〕から〔12〕のいずれかに記載のベクターを、ベクター上の β アクチンプロモーターと同じ動物目由来の宿主細胞に導入することを含む、宿主細胞において所望のDNAを発現させる方法。

〔26〕 〔8〕から〔12〕のいずれかに記載のベクターを、ベクター上の β アクチンプロモーターと同じ動物種由来の宿主細胞に導入することを含む、宿主細胞において所望のDNAを発現させる方法。

〔27〕 〔8〕に記載のベクターおよびトランスアクティベーターをコードするDNAを発現可能に保持するベクターを、〔8〕に記載のベクター上の β アクチンプロモーターと同種由来の宿主細胞に導入することを含む、宿主細胞における所望のDNAを発現させる方法。

〔28〕 宿主細胞が哺乳動物細胞である、〔25〕から〔27〕のいずれかに記載の方法。

〔29〕 宿主細胞がげっ歯類細胞である、〔25〕から〔27〕のいずれかに記載の方法。

〔30〕 宿主細胞と同じ動物目由来の β アクチンプロモーターを所望のDNAの上流に組み込むことを特徴とする、所望のDNAの発現量を増加させる方法。

〔31〕 宿主細胞と同じ動物種由来の β アクチンプロモーターを所望のDNAの上流に組み込むことを特徴とする、所望のDNAの発現量を増加させる方法。

〔32〕 エンハンサーをさらに組み込むことを特徴とする〔30〕もしくは〔31〕

に記載の方法。

〔33〕 エンハンサーがWoodchuck Hepatitis Virus Posttranscriptional Regulatory Element (WPPE)である〔32〕に記載の方法。

〔34〕 エンハンサーがCMVエンハンサーである〔32〕に記載の方法。

〔35〕 トランスアクティベーターをコードする遺伝子を組み込むことを特徴とする〔30〕から〔34〕のいずれかに記載の方法。

〔36〕 宿主細胞が哺乳動物細胞である〔30〕から〔35〕いずれかに記載の方法

。〔37〕 宿主細胞がげっ歯類細胞である〔30〕から〔35〕いずれかに記載の方法

【発明の効果】

【0015】

これまでの、動物細胞でタンパク質を産生させるために使用されていたベクターには、EF1 α プロモーター (W092/19759) やCMVプロモーターが使用されてきた。近年、医薬品におけるバイオ製剤のシェアが大きくなり、特に多くの抗体医薬品が上市されるようになってきた。抗体医薬品は、従来のエリスロポエチン、G-CSF、インターフェロンなどのサイトカインをバイオ製剤としていたものと比較して、大量の投与が必要とされている。従って安価な抗体医薬品の安定な供給には、動物細胞で大量にタンパク質を発現させることが必須となっている。本発明の方法は、従来の技術と比較してタンパク質をより大量に産生させることを可能としたことから、産業上の観点から有用性があるものと考えられる。また、抗体医薬の作製においては、抗原を動物に免疫する過程が必要であるが、こうした発現ベクターに抗原の遺伝子を組み込み、ベクターそのものを動物に免疫することが可能であることが明らかになってきた。本方法のメリットは、抗原をタンパク質として精製する過程を省略できることにある。免疫過程には、いかに多くの抗原がベクターを投与された動物個体内で産生されるかが重要であり、従って発現ベクターが強力なものであるほど好ましい。モノクローナル抗体作製には、マウスやラットが一般に用いられているが、本発明のベクターはこうした用途に好適であると考えられる。さらに、ヒトにおいても遺伝子治療に使用されるベクターなどに組み込むことで、臨床に応用することも可能である。

【発明を実施するための最良の形態】

【0016】

本発明はエンハンサーに哺乳類 β アクチンプロモーターが機能的に結合したDNA構築物、及び該DNA構築物を含むベクターを提供する。本発明のDNA構築物やベクターは、所望のDNAの発現（例えば、所望のタンパク質をコードするDNAの発現、アンチセンスDNAの発現、dsRNAをコードするDNAの発現など）に用いることができる。

【0017】

本発明において、哺乳類 β アクチンプロモーターとエンハンサーとが「機能的に結合した」とは、プロモーター活性が高まるように、本発明のプロモーター活性を有する哺乳類 β アクチンプロモーターとエンハンサーとが結合していることをいう。従って、哺乳類 β アクチンプロモーターにエンハンサーの距離が離れていたり、間に他の遺伝子が挿入された場合であっても、哺乳類 β アクチンプロモーターのプロモーター活性が高まるのであれば、上記の「機能的に結合した」の意に含まれる。エンハンサーは哺乳類 β アクチンプロモーターの上流下流どちらに存在していても良い。

【0018】

また、哺乳類 β アクチンプロモーターと所望のDNAが「機能的に結合した」とは、哺乳類 β アクチンプロモーターの活性化により、所望のDNAの発現が誘導されるように、哺乳類 β アクチンプロモーターと所望のDNAとが結合していることをいう。該DNAと哺乳類 β アクチンプロモーターとの間には、該DNAの発現の誘導が起こり得る限り、任意のDNA配列を有していても良い。本発明における「DNAの発現」には、転写および翻訳の双方が含まれる。また、所望のDNAが、所望のタンパク質をコードするDNAであってもよい。

【0019】

本発明においてエンハンサーとは、転写により生成するメッセンジャーRNA(mRNA)の量を結果的に増加させるものであれば限定されない。エンハンサーはプロモーターの作用を促進する効果を持つ塩基配列であり、一般的には100bp前後からなるものが多い。エンハンサーは配列の向きにかかわらず転写を促進することができる。又、エンハンサー自体はプロモーター活性を持っていないのであるが、エンハンサーは数千塩基対も離れた所から転写を活性化することができる。さらに、エンハンサーは転写される遺伝子領域の上流、下流、および遺伝子内にも存在し、転写の活性化することができる。また、上述したように本発明のエンハンサーは、転写により生成するmRNAの量を増加させるものであれば限定されないので、mRNAの転写後にmRNAの分解を阻害したり、mRNAを安定化することによって、細胞内に存在するmRNAの量を増加させ、アミノ酸の翻訳効率を上げるものも本発明のエンハンサーに含まれる。

【0020】

本発明で用いられるエンハンサーは1種類でもよく、又、2つ以上の同一のエンハンサーを複数用いたり、あるいは異なる複数のエンハンサーを組み合わせ用いても良い。

【0021】

本発明において用いられるエンハンサーとしては、WPRE、CMVエンハンサー、HTLV-IのLTRに存在するR-U5'セグメント(Mol. Cell. Biol., Vol.8(1), p.466-472, 1988)、SV40エンハンサー、ウサギ β グロビンの第二エクソンと第三エクソン間に存在するイントロン配列(Proc. Natl. Acad. Sci. USA., Vol.78(3), p.1527-31, 1981)、ヒト成長ホルモンのゲノム領域(J Immunol., Vol. 155(3), p.1286-95, 1995)などを挙げるができるが、より好ましいものはWPREまたはCMVエンハンサーである。

【0022】

WPREは、Woodchuck hepatitis virusゲノム配列(GenBank Accession No. J04514)に存在するHBVPRE(human hepatitis B virus posttranscriptional regulatory element)に類似した領域であり、ゲノム配列の1093番目から1684番目の592塩基が転写後調節領域であることが報告されている(Journal of Virology, Vol.72, p.5085-5092, 1998)。その後、レトロウイルスベクターを用いた解析により、WPREは目的遺伝子3'末端の非翻訳領域に挿入することにより、5~8倍高い蛋白産生が得られることが示された。また、WPREの導入により、mRNAの分解が抑制されることも報告された(Journal of Virology, Vol.73, p.2886-2892, 1999)。WPREのようにmRNAの安定化により、アミノ酸の翻訳効率を上げるものも広義のエンハンサーと考えられる。本発明において用いられるWPREとしては、配列番号: 3に記載の塩基配列からなるDNAが、より好ましい。

【0023】

また、CMVエンハンサーもWPREと同様の目的で用いることができる。本発明で用いられるサイトメガロウイルスはヒトに感染するサイトメガロウイルス(ヒトサイトメガロウイルス)でもよく、又、非ヒト動物に感染するサイトメガロウイルスでもよい。非ヒト動物に感染するサイトメガロウイルスとしては、例えば、げっ歯類に感染するサイトメガロウイルス(例えば、マウスサイトメガロウイルスなど)を用いることが可能である。CMVエンハンサーは公知の配列を用いることが可能であり、例えばGenBank Accession No. X17403(ヒトサイトメガロウイルス)、GenBank Accession No. L06816(マウスサイトメガロウイルス)に記載のCMVエンハンサーを用いることが可能である。また、CMVエンハンサーは市販されている発現ベクター(ex. ストラタジーン社のpCMV-Script、インビトロジェン社のpcDNA3.1)の多くに、CMVプロモーターの一部として組み込まれている。本発明において用いられるCMVエンハンサーとしては、配列番号: 4に記載の塩基配列からなるDNAが、より好ましい。

【0024】

プロモーターはDNAを鋳型に転写を開始するDNA上の特定の塩基配列であり、一般的に、共通の配列を持つ。例えば、大腸菌などの原核生物では、通常、転写開始部位の-10塩基対部位にTATAATG配列を、-35塩基対部位にTTGACA配列を持つ。又、真核生物では、通常、-20塩基対部位にTATAボックスを持つ。

【0025】

本発明で用いられる β アクチンプロモーターとしては、哺乳類 β アクチンプロモーターを用いることができる。哺乳類 β アクチンプロモーターは、ヒト β アクチンプロモーターやげっ歯類 β アクチンプロモーターなど、どのような哺乳類由来の β アクチンプロモーターを用いてもよいが、好ましくはげっ歯類 β アクチンプロモーターを用いることができる。げっ歯類 β アクチンプロモーターとしては、例えば、マウス β アクチンプロモーター (GenBank Accession No. NT_039317)、ラット β アクチンプロモーター (GenBank Accession No. NW_042778) などを用いることができる。本発明において用いられる哺乳類 β アクチンプロモーターとしては、配列番号: 1 もしくは 2 に記載の塩基配列からなるDNAが、より好ましい。

【0026】

げっ歯類としては、ネズミ下目、リス下目、ビーバー下目、パラミス下目、デバネズミ下目、ヤマアラシ下目、デンジクネズミ下目などに属する動物を挙げることができ、より具体的には、マウス、ラット、ハムスターなどを挙げることができる。

【0027】

ベクターは、一般的には、所望の遺伝子を宿主に導入して、所望の遺伝子を増幅や発現させる為の運搬体DNA分子のことをいい、好ましくは、公知の制限酵素部位を持ち、栄養要求性であり、宿主内で複製できる能力を持つ。ベクターは通常、プロモーター、エンハンサー、ターミネーター、SD配列、翻訳開始コドン、翻訳終了コドン、複製開始点などを含むことができる。ベクターには、必要に応じて、ベクターが導入された細胞を選択し得る選択マーカーなどをさらに保持させることができる。選択マーカーとしては、アンピシリン、テトラサイクリン、カナマイシン、クロラムフェニコール、ネオマイシン、ハイグロマイシン、ピューロマイシン、ゼオシンのような薬剤耐性遺伝子、ガラクトシダーゼなどの酵素活性を指標に選択し得るマーカー、あるいは、GFPなどの蛍光発光などを指標に選択し得るマーカーなどが挙げられる。また、EGFレセプター、B7-2などの表面抗原を指標に選択し得る選択マーカーなども用いてもよい。このように選択マーカーを用いることにより、該ベクターが導入された細胞、すなわち、本発明のベクターが導入された細胞のみを選択することが可能となる。又、ベクターには、ポリペプチド分泌のためのシグナル配列が含まれていてもよい。ポリペプチド分泌のためのシグナル配列としては、大腸菌のペリプラズムに産生させる場合、pelBシグナル配列 (J. Bacteriol., Vol.169(9), p.4379-4383, 1987) を使用すればよい。

【0028】

本発明で用いられるベクターは特に制限されず、いかなるベクターを用いてもよい。具体的には、哺乳動物由来のベクター (例えば、pcDNA3 (インビトロジェン社製) や、pEGF-BOS (Nucleic Acids. Res., 18(17), p.5322, 1990)、pEF、pCDM8、pCXN、昆虫細胞由来のベクター (例えば「Bac-to-BAC baculovirus expression system」(インビトロジェン社製)、pBacPAK8)、植物由来の発現ベクター (例えばpMH1、pMH2)、動物ウイルス由来のベクター (例えば、pHSV、pMV、pAdexLcw)、レトロウイルス由来のベクター (例えば、pZIPneo)、酵母由来のベクター (例えば、「Pichia Expression Kit」(インビトロジェン社製)、pNV11、SP-Q01)、枯草菌由来のベクター (例えば、pPL608、pKTH50)、大腸菌ベクター (M13系ベクター、pUC系ベクター、pBR322、pBluescript、pCR-Script)、などが挙げることができる。本発明においては、哺乳動物細胞内で発現可能なベクターを用いることが好ましく、又、発現ベクターを用いることが好ましい。

【0029】

宿主細胞がCHO細胞である場合、遺伝子を安定的に発現させ、かつ、細胞内での遺伝子のコピー数の増幅を目的とする為に、核酸合成経路を欠損したCHO細胞にそれを相補するDHFR遺伝子を有するベクター (例えば、pCHOIなど) を導入し、メトトレキセート (MTX) により増幅させることができる。

【0030】

さらに本発明のベクターには、トランスアクティベーターをコードするDNAが含まれて

いてもよい。トランスアクティベーターは遺伝子の転写を活性化するトランス作動性因子であり、トランス活性化因子ともいわれる。トランスアクティベーターには、DNA結合能を持ちシスエレメントへの結合を介して直接転写を促進するものや、DNA結合能を持たず、他の因子を活性化することで間接的に転写を促進するもの、等が知られている。本発明で使用されるトランスアクティベーターは特に限定されず、どのようなトランスアクティベーターを用いてもよい。トランスアクティベーターの具体的な例としては、アデノウイルスのE1A、ヒト免疫不全ウイルスのTat、ヒトT細胞白血病ウイルスのTax、癌遺伝子産物などを挙げることができるが、本発明においては癌遺伝産物を用いることが好ましい。癌遺伝子は動物の正常細胞に内在し、その活性化突然変異により細部尾の癌化を誘導する遺伝子群の総称である。ウイルスがもつ癌遺伝子はウイルス性癌遺伝子、その由来である正常細胞の遺伝子は細胞性癌遺伝子と呼ばれている。癌遺伝子としては例えば、src、yes、fgr、fms、erbB、abl、kit、crk、mos、raf、sis、ras、myc、fos、junなどを挙げることができる。ヒト活性型H-Rasがヒト β アクチンプロモーターを組み込んだ発現ベクターの発現効率を亢進することが報告されているが(Cytotechnology, Vol.16, p.167-178, 1994)、本発明においてもRasを用いることが好ましい。RasにはK-ras、H-ras、N-ras、c-rasがあり、さらに、rho遺伝子ファミリー、rab遺伝子ファミリーを含む場合には、rasスーパーファミリーと呼ばれている。本発明においてはH-rasを好適に用いることができる。トランスアクティベーターとしてRasを用いる場合、Rasは野生型でも活性型でもよい。本発明において用いられるH-rasとしては、配列番号: 5又は6のいずれかのDNA又は配列番号: 7又は8のアミノ酸配列をコードするDNAが、より好ましい。

【0031】

さらに、本発明のベクターを、時期特異的に遺伝子を発現するよう設計してもよい。時期特異的に遺伝子を発現させる方法としては、例えば、Cre-loxPシステムなどの部位特異的組換えを用いた方法を挙げることができる。

【0032】

Creは、2個のloxP配列間の部位特異的組換えを仲介する、E.coliバクテリオファージP1由来の組換え酵素である。LoxP配列は、Creが結合するための認識配列として働く2個の13bpの逆方向反復配列に両側を挟まれた8bpのスペーサー領域からなる。所望の遺伝子の発現が抑制されるようにloxP配列をベクターに導入しておけば、Creを投与してloxP配列を除去することにより、好きな時期に所望の遺伝子を発現させることが可能である。loxP配列の挿入部位は、プロモーターと所望の遺伝子の間など、所望の遺伝子の発現が抑制される部位であればよい。又、Creの投与は、Cre自体を投与してもよいし、Creをコードする遺伝子を投与してもよい。トランスジェニック動物などの動物でCre-loxPシステムを用いる場合には、例えば、Creを発現するアデノウイルスを感染させることなどにより、所望の遺伝子を発現させることができる(Nucleic. Acids. Res., Vol.23(19), p.3816-3821, 1995)。このような酵素を利用した部位特異的組換えとしては、他にFlp-FRT、Zygosaccharomyces rouxii pSR1、レソルバーゼ-rfsF、ファージMu Ginなどを挙げることができる。

【0033】

さらに、上述した時期特異的発現システム以外に、テトラサイクリンなどの抗生物質を利用した方法や、エクジソンなどのホルモンを利用した方法などを用いることが可能である。これらの方法は当業者に公知であり、市販されているキットを用いることが可能である(エクジソン発現システム(インビトロジェン社)、テトラサイクリン発現システム(クロンテック社)、など)。

【0034】

また、本発明は、本発明のベクターが導入された宿主細胞を提供する。本発明の宿主細胞は、例えば、所望のタンパク質の製造や発現のための産生系として使用することができる。本発明のベクターが導入される宿主細胞としては特に制限はなく、株化された細胞、初代継代細胞、動物個体、受精卵など細胞種を問わない。本発明の宿主細胞としては、例えば、種々の動物細胞(例えば、哺乳動物細胞)や大腸菌などを用いることが可能である。

。真核細胞を使用する場合、例えば、動物細胞、植物細胞、真菌細胞を宿主に用いることができる。動物細胞としては、ヒト、マウス、ハムスターなどの哺乳類細胞（例えば、CHO、COS、3T3、ミエローマ、BHK (baby hamster kidney)、HeLa、Vero）、両生類細胞（例えばアフリカツメガエル卵母細胞 (Nature, Vol.291, p.358-360, 1981)）、あるいは昆虫細胞（例えば、Sf9、Sf21、Tn5）などが知られている。CHO細胞としては、特に、DHFR遺伝子を欠損したCHO細胞である dhfr-CHO (Proc. Natl. Acad. Sci. USA, Vol.77, p.4216-4220, 1980) や CHO K-1 (Proc. Natl. Acad. Sci. USA, Vol.60, p.1275, 1968) を好適に使用することができる。植物細胞としては、例えば、ニコチアナ・タバカム (Nicotiana tabacum) 由来の細胞がポリペプチド生産系として知られており、これをカルス培養すればよい。真菌細胞としては、酵母、例えば、サッカロミセス (Saccharomyces) 属、例えば、サッカロミセス・セレビシエ (Saccharomyces cerevisiae)、糸状菌、例えば、アスペルギルス (Aspergillus) 属、例えば、アスペルギルス・ニガー (Aspergillus niger) が知られている。原核細胞を使用する場合、細菌細胞を用いる産生系がある。細菌細胞としては、大腸菌 (E. coli)、例えば、JM109、DH5 α 、HB101等が挙げられ、その他、枯草菌が知られている。本発明において好ましい宿主細胞としては、動物細胞を挙げることができ、さらに好ましくは哺乳動物細胞、特に好ましくはげっ歯類細胞（例えばCHO細胞）を挙げることができる。

【0035】

又、本発明の宿主細胞として、癌遺伝子が活性化している細胞を用いることも可能である。癌遺伝子が活性化している細胞とは、正常細胞と比較して癌遺伝子が多量に発現している細胞、または変異した癌遺伝子が発現している細胞などをいう。

【0036】

癌遺伝子が活性化している細胞は、人為的に癌遺伝子が活性化された細胞でも非人為的に癌遺伝子が活性化された細胞でもよい。人為的に癌遺伝子が活性化された細胞の具体的な例としては、癌遺伝子（野生型または活性型）を含むベクターが導入された細胞や、癌遺伝子に人為的に変異を導入した細胞などを挙げることができる。非人為的に癌遺伝子が活性化された細胞の具体的な例としては、癌化した細胞 (ex. T24ヒト膀胱癌細胞 Nature, Vol.302, p.33-37, 1983) などを挙げることができる。癌遺伝子の活性化のメカニズムとしては、プロモーター・インサージョン、点突然変異、遺伝子増幅、転座などによると考えられている。

【0037】

また、本発明のベクターの上記細胞への導入方法は、当業者においては、細胞の種類により適宜選択することができる。例えば、哺乳動物細胞への導入では、リン酸カルシウム法 (Virology, Vol.52, p.456, 1973)、DEAEデキストラン法、カチオニックリボソームDOTAP (ロッシュ・ダイアグノスティックス社製) を用いた方法、エレクトロポレーション法 (Nucleic Acids Res., Vol.15, p.1311, 1987)、リポフェクション法 (J. Clin. Biochem. Nutr., Vol.7, p.175, 1989)、ウイルスにより感染導入方法 (Sci. Am., p.34, 1994)、パーティクルガンなどから選択することができ、植物細胞への導入では、エレクトロポレーション法 (Nature, Vol.319, p.791, 1986)、ポリエチレングリコール法 (EMBO J., Vol.3, p.2717, 1984)、パーティクルガン法 (Proc. Natl. Acad. Sci. USA, Vol.85, p.8502, 1988)、アグロバクテリウムを介した方法 (Nucleic Acids Res., Vol.12, p.8711, 1984) 等により行うことができる。

【0038】

また、Trans IT (タカラ社)、PolyFect Transfection Reagent (キアゲン社)、LipofectA MINE (インビトロジェン社) などのキットを利用してもよい。さらに、本発明の宿主細胞は、本発明のベクター以外に、トランスアクティベーターをコードするDNAを有するベクターをさらに含んでいてもよい。

【0039】

本発明はさらに本発明のベクターを用いた所望のタンパク質の製造方法及び所望のDNAを発現させる方法に関する。タンパク質製造のための産生系は、in vitro および in vivo

の産生系がある。in vitroの産生系としては、真核細胞を使用する産生系や原核細胞を使用する産生系が挙げられる。例えば、上述した宿主細胞をin vitroで培養することにより所望のタンパク質が得られる。培養は、公知の方法に従い行うことができる。例えば、動物細胞の培養液として、例えば、DMEM、MEM、RPMI1640、IMDM、F10培地、F12培地などを使用することができる。その際、牛胎児血清(FCS)等の血清補液を併用することもできるし、無血清培養してもよい。さらに、トランスアクティベーターを培地に添加してもよい。培養時のpHは、約6~8であるのが好ましい。培養は、通常、約30~40℃で約15~200時間行い、必要に応じて培地の交換、通気、攪拌を加える。培養条件は使用する細胞の種類によって異なるので、当業者は適宜好適な条件を決定することができる。例えばCHO細胞であれば通常、気相のCO₂濃度が0~40%、好ましくは、2~10%の雰囲気下、30~39℃、好ましくは、37℃程度で、1~14日間培養すればよい。また、動物細胞培養用の各種の培養装置としては、例えば発酵槽型タンク培養装置、エアリフト型培養装置、カルチャーフラスコ型培養装置、スピナーフラスコ型培養装置、マイクロキャリア型培養装置、流動層型培養装置、ホロファイバー型培養装置、ローラーボトル型培養装置、充填槽型培養装置等を用いて培養することができる。

【0040】

一方、in vivoでタンパク質を産生させる系としては、例えば、動物を使用する産生系や植物を使用する産生系が挙げられる。これらの動物又は植物に目的とするDNAを導入し、動物又は植物の体内でポリペプチドを産生させ、回収する。本発明における「宿主」とは、これらの動物、植物を包含する。動物を使用する場合、哺乳類動物、昆虫を用いる産生系がある。哺乳類動物としては、ヤギ、ブタ、ヒツジ、マウス、ウシを用いることができる(Vicki Glaser, SPECTRUM Biotechnology Applications, 1993)。また、哺乳類動物を用いる場合、トランスジェニック動物を用いることができる。例えば、所望のタンパク質をコードするDNAを、ヤギβカゼインのような乳汁中に固有に産生されるポリペプチドをコードする遺伝子との融合遺伝子として調製する。次いで、この融合遺伝子を含むDNA断片をヤギの胚へ注入し、この胚を雌のヤギへ移植する。胚を受容したヤギから生まれるトランスジェニックヤギ又はその子孫が産生する乳汁から、所望のタンパク質を得ることができる。トランスジェニックヤギから産生されるポリペプチドを含む乳汁量を増加させるために、適宜ホルモンをトランスジェニックヤギに使用してもよい(Bio/Technology, Vol.12, p.699-702, 1994)。また、昆虫としては、例えばカイコを用いることができる。カイコを用いる場合、所望のタンパク質をコードするDNAを挿入したバキュロウィルスをカイコに感染させることにより、このカイコの体液から所望のタンパク質を得ることができる(Nature, Vol.315, p.592-594, 1985)。

【0041】

さらに、植物を使用する場合、例えばタバコを用いることができる。タバコを用いる場合、所望のタンパク質をコードするDNAを植物発現用ベクター、例えばpMON 530に挿入し、このベクターをアグロバクテリウム・ツメファシエンス(Agrobacterium tumefaciens)のようなバクテリアに導入する。このバクテリアをタバコ、例えば、ニコチアナ・タバカム(Nicotiana tabacum)に感染させ、本タバコの葉より所望のタンパク質を得ることができる(Eur. J. Immunol., Vol.24, p.131-138, 1994)。

【0042】

本発明のタンパク質製造方法において、遺伝子の発現は一過性発現でもよい。遺伝子の一過性の発現を目的とする場合には、例えば、SV40 T抗原を発現する遺伝子を染色体上に持つCOS細胞を用いてSV40の複製起点を持つベクター(pcDなど)で形質転換する方法が挙げられる。複製開始点としては、また、ポリオーマウイルス、アデノウイルス、ウシパピローマウイルス(BPV)等の由来のものを用いることもできる。さらに、宿主細胞系で遺伝子コピー数増幅のため、発現ベクターは選択マーカーとして、アミノグリコシドトランスフェラーゼ(APH)遺伝子、チミジンキナーゼ(TK)遺伝子、大腸菌キサンチンゲアニンホスホリボシルトランスフェラーゼ(Ecogpt)遺伝子、ジヒドロ葉酸還元酵素(dhfr)遺伝子等を含むことができる。さらに、遺伝子治療などのように所望の遺伝子を生体内で

発現させる場合には、所望の遺伝子をベクターに組み込み、例えば、レトロウイルス法、リポソーム法、カチオニックリポソーム法、アデノウイルス法などにより生体内に導入する方法などが挙げられる。用いられるベクターとしては、例えば、アデノウイルスベクター（例えばpAdexlcw）やレトロウイルスベクター（例えばpZIPneo）などが挙げられるが、これらに制限されない。ベクターへの所望の遺伝子の挿入などの一般的な遺伝子操作は、常法に従って行うことが可能である（Molecular Cloning, 5.61-5.63）。生体内への投与は、ex vivo法であっても、in vivo法であってもよい。

【0043】

本発明により得られた所望のタンパク質は、宿主細胞内または細胞外（培地など）から単離し、実質的に純粋で均一なタンパク質として精製することができる。タンパク質の分離、精製は、通常のタンパク質の精製で使用されている分離、精製方法を使用すればよく、何ら限定されるものではない。例えば、クロマトグラフィーカラム、フィルター、限外濾過、塩析、溶媒沈殿、溶媒抽出、蒸留、免疫沈降、SDS-ポリアクリルアミドゲル電気泳動、等電点電気泳動法、透析、再結晶等を適宜選択、組み合わせればタンパク質を分離、精製することができる。クロマトグラフィーとしては、例えばアフィニティークロマトグラフィー、イオン交換クロマトグラフィー、疎水性クロマトグラフィー、ゲル濾過、逆相クロマトグラフィー、吸着クロマトグラフィー等が挙げられる（Strategies for Protein Purification and Characterization: A Laboratory Course Manual, Ed Daniel R. Marshak et al., Cold Spring Harbor Laboratory Press, 1996）。これらのクロマトグラフィーは、液相クロマトグラフィー、例えばHPLC、FPLC等の液相クロマトグラフィーを用いて行うことができる。なお、タンパク質を精製前又は精製後に適当なタンパク質修飾酵素を作用させることにより、任意に修飾を加えたり、部分的にペプチドを除去することもできる。タンパク質修飾酵素としては、例えば、トリプシン、キモトリプシン、リシルエンドペプチダーゼ、プロテインキナーゼ、グルコシダーゼなどが用いられる。

【0044】

本発明のベクター、DNA構築物または宿主細胞は、所望のタンパク質を製造する際に用いることができる。本発明において、所望のタンパク質とはいかなるタンパク質でもよく、タンパク質断片やペプチドなども含まれる。所望のタンパク質の具体例としては、抗体、エリスロポイエチン、コロニー刺激因子（顆粒球、マクロファージ、顆粒球マクロファージ）、インターロイキン1～31、インターフェロン、RANTES、リンホトキシン β 、Fasリガンド、flt-3リガンド、NF- κ Bの受容体活性化因子のリガンド（RANKL）、TNF関連アポトーシス誘導リガンド（TRAIL）、CD40リガンド、OX40リガンド、4-1BBリガンド（およびTNFファミリーの他のメンバー）、胸腺ストロマ由来リンホポエチン、マスト細胞増殖因子、幹細胞増殖因子、上皮増殖因子、成長ホルモン、腫瘍壊死因子、白血病阻害因子、オンコスタチンM、トロンプオエチンのような造血因子などのサイトカイン、成長因子、などを挙げることができる。

【0045】

さらに、本発明のベクター又はDNA構築物はトランスジェニック動物の作製に用いることも可能である。トランスジェニック動物の作製は公知の方法、例えば、以下のようにして作製することが可能である。まず、トランスジェニック動物内で発現させたい目的遺伝子を、本発明のDNA構築物又は本発明のベクターに挿入する。該ベクター、該DNA構築物、又はそれらから切り出した発現カセットを全能性細胞に導入する。全能性細胞としては、受精卵、初期胚、胚性幹細胞（ES細胞）等を用いることが可能である。全能性細胞への導入は、静電パルス法、リポソーム法、リン酸カルシウム法、マイクロインジェクション法、あるいはレトロウイルスを感染させるなど、通常用いられる方法により行うことができる。上記処理を行った全能性細胞を仮親の卵管に移植し、産仔を出生させ、その産仔の中から、目的遺伝子を有する個体を選抜する。目的遺伝子を有する個体であるか否かは、目的遺伝子に特異的なプライマーを用いたサザンブロッティングやPCRによる確認などで判定することができる。

【0046】

トランスジェニック動物としては、ヒト以外の非ヒト動物であれば特に制限されず、マウス、ラット、ハムスター、モルモット、ウサギ、ブタ、ミニブタ、ウシ、ヒツジ、ネコ、イヌ等の哺乳動物、ニワトリ等の鳥類、魚類、昆虫類、線虫類などを挙げることができる。操作上の点などから、好ましくはげっ歯類であり、特に好ましくはマウスである。

【0047】

又、本発明のベクター又はDNA構築物は、アンチセンス法やRNAiなどに用いることも可能である。アンチセンス法は、標的遺伝子に対して相補的な配列を持つオリゴヌクレオチドが細胞内に存在すると、該アンチセンス（アンチセンスDNA、アンチセンスRNAなど）が標的遺伝子（標的mRNA、標的DNA、など）と対合することにより、翻訳・転写を阻害し、標的遺伝子の発現を抑制することをいう。従って、アンチセンスオリゴヌクレオチドを、本発明のDNA構築物又は本発明のベクターに挿入し、該DNA構築物または該ベクターで細胞を形質転換することにより、細胞内での標的DNAの発現を阻害することが可能となる。

【0048】

又、RNA干渉（RNA interference: RNAi）を用いて標的遺伝子を阻害することも可能である。RNAiは、二本鎖RNA(dsRNA)を細胞内に導入した際に、そのRNA配列に対応する細胞内のmRNAが特異的に分解され、蛋白質として発現されなくなる現象をいう。RNAiの場合、通常、二本鎖RNAが用いられるが、自己相補的な一本鎖RNA中で形成される二本鎖を用いることも可能である。二本鎖を形成する領域は、全ての領域において二本鎖を形成していてもよいし、一部の領域（例えば両末端又は片方の末端など）が一本鎖等になっていてもよい。RNAiに用いられるオリゴRNAは10~100bpのRNAが用いられることが多く、通常19~23bpのRNAが用いられる。従って、細胞内で二本鎖RNAを形成するように設計された遺伝子を、本発明のDNA構築物又は本発明のベクターに挿入し、該DNA構築物または該ベクターで細胞を形質転換することにより、細胞内での標的遺伝子の発現を阻害することが可能となる。RNAi法は、Nature, Vol.391, p.806, 1998、Proc.Natl.Acad.Sci.USA, Vol.95, p.15502, 1998、Nature, Vol.395, p.854, 1998、Proc.Natl.Acad.Sci.USA, Vol.96, p.5049, 1999、Cell, Vol.95, p.1017, 1998、Proc.Natl.Acad.Sci.USA, Vol.96, p.1451, 1999、Proc.Natl.Acad.Sci.USA, Vol.95, p.13959, 1998、Nature Cell Biol., Vol.2, p.70, 2000等の記載に従って行うことができる。

【0049】

さらに、本発明のベクター又はDNA構築物は、遺伝子治療に用いることも可能である。遺伝子治療は、変異した遺伝子を補正することを目的に、外部から患者の細胞に正常な遺伝子を導入し、細胞の表現型を変化させることにより、病気の治療を行う方法である。又、遺伝子治療は、遺伝子病の治療のみならず、エイズや癌などの他の疾患に対しても有効であると考えられている。遺伝子治療は、生体に直接遺伝子を導入し、細胞に遺伝子を組み込む方法（in vivo法）と、患者の細胞を採取し、体外で細胞に遺伝子を導入した後、該細胞を再度、患者に移植する方法（ex vivo法）に分けられる。

【0050】

遺伝子の投与は如何なる方法を用いてもよく、マイクロインジェクション、リン酸カルシウム法、エレクトロポレーション法、パーティクルガン、レトロウイルスなどのウイルスベクターを用いた方法などにより投与することが可能である。現在、遺伝子治療にはウイルスベクターが広範に用いられている。ウイルスベクターとして用いられるウイルスの例としては、アデノウイルス、アデノ関連ウイルス、ヘルペスウイルス、ワクシニアウイルス、レトロウイルス、ポリオマウイルス、パピローマウイルス、レンチウイルスなどを挙げることができる。

【0051】

又、パーティクルガンでの導入のように、遺伝子を直接導入する方法も確立されている。in vivo法で遺伝子を導入する場合、その投与経路は限定されず、静脈内、筋肉、皮下、皮内、粘膜、心臓や肝臓などの臓器に直接投与、など如何なる経路で投与してもよい。このように、患者の細胞に導入したい遺伝子を、本発明のDNA構築物又は本発明のベクターに挿入し、該DNA構築物または該ベクターを、in vivo法又はex vivo法により患者の細

胞内に導入することにより、遺伝子治療が可能となる。遺伝子治療の具体的な方法は、別冊実験医学 遺伝子治療の基礎技術（羊土社）、別冊実験医学 遺伝子導入と発現解析実験法（羊土社）、日本遺伝子治療学会編遺伝子治療開発研究ハンドブック（エヌ・ティー・エス）などを参考に行うことができる。

【0052】

さらに、本発明のベクター又はDNA構築物は、DNAワクチンの発現の為に用いることも可能である。DNAワクチンは、抗原DNAを体内で発現させ、その抗原に対する免疫反応を誘起する方法と、CpGの繰り返し配列を免疫増強物質として接種する方法の二つがある。DNAワクチンを接種すると、体内で抗原タンパク質が合成され、ウイルスなどの自然感染と同様の免疫反応を誘導する。DNAワクチン発現の為にベクター、投与方法、投与経路などは遺伝子治療と同様の方法により行うことが可能である。

【0053】

さらに、本発明のベクター又はDNA構築物は、免疫原として抗体作製に用いることも可能である（J. Virol., Vol.70(9), p.6119-25, 1996）。免疫原となるタンパク質又はペプチドを発現するよう、本発明のDNA構築物又はベクターを構築し、該ベクター又はDNA構築物を免疫動物に投与することにより、免疫動物の体内で免疫原となるタンパク質又はペプチドが発現し、該タンパク質又はペプチドに対する抗体が産生される。より具体的には、例えば、以下のような方法により抗体を作製することが可能である。

【0054】

まず、免疫原となるタンパク質又はペプチドをコードする遺伝子を、本発明のDNA構築物又はベクターに挿入する。該DNA構築物またはベクターを免疫動物（非ヒト動物）に投与する。投与は如何なる方法を用いてもよく、ベクターをそのまま投与する方法以外に、例えば、エレクトロポレーション法、パーティクルガン、レトロウイルスなどのウイルスベクターを用いた方法などにより投与することが可能である。又、化学物質（ブピバカインなど）など、他の物質と一緒に投与してもよい。投与経路は静脈内、筋肉、皮下、皮内、粘膜、心臓や肝臓などの臓器に直接投与など、如何なる経路で投与してもよい。感作抗原で免疫される哺乳動物としては、特に限定されるものではないが、細胞融合に使用する親細胞との適合性を考慮して選択するのが好ましく、一般的にはげっ歯類の動物、例えば、マウス、ラット、ハムスター、あるいはウサギ、サル等が使用される。このように哺乳動物を免疫し、血清中に所望の抗体レベルが上昇するのを確認した後に、哺乳動物から免疫細胞を採取し、細胞融合に付されるが、好ましい免疫細胞としては、特に脾細胞が挙げられる。

【0055】

前記免疫細胞と融合される他方の親細胞として、哺乳動物のミエローマ細胞を用いる。このミエローマ細胞は、公知の種々の細胞株、例えば、P3 (P3x63Ag8.653) (J. Immunol., Vol.123, p.1548-1550, 1979)、P3x63Ag8U.1 (Current Topics in Microbiology and Immunology, Vol.81, p.1-7, 1978)、NS-1 (Eur. J. Immunol., Vol.6, p.511-519, 1976)、MPC-11 (Cell, Vol.8, p.405-415, 1976)、SP2/0 (Nature, Vol.276, p.269-270, 1978)、FO (J. Immunol. Methods, Vol.35, p.1-21, 1980)、S194 (Trowbridge, I. S. J. Exp. Med. Vol.148, p.313-323, 1978)、R210 (Nature, Vol.277, p.131-133, 1979) 等が好適に使用される。前記免疫細胞とミエローマ細胞との細胞融合は、基本的には公知の方法、たとえば、ケーラーとミルステインらの方法 (Methods Enzymol., Vol.73, p.3-46, 1981) 等に従って行うことができる。より具体的には、前記細胞融合は、例えば細胞融合促進剤の存在下に通常の栄養培養液中で実施される。融合促進剤としては、例えばポリエチレングリコール (PEG)、センダイウイルス (HVJ) 等が使用され、更に所望により融合効率を高めるためにジメチルスルホキシド等の補助剤を添加使用することもできる。

【0056】

免疫細胞とミエローマ細胞との使用割合は任意に設定することができる。例えば、ミエローマ細胞に対して免疫細胞を1-10倍とするのが好ましい。前記細胞融合に用いる培養液

としては、例えば、前記ミエローマ細胞株の増殖に好適なRPMI1640培養液、MEM培養液、その他、この種の細胞培養に用いられる通常の培養液が使用可能であり、さらに、牛胎児血清 (FCS) 等の血清補液を併用することもできる。細胞融合は、前記免疫細胞とミエローマ細胞との所定量を前記培養液中でよく混合し、予め37℃程度に加温したPEG溶液（例えば平均分子量1000-6000程度）を通常30-60% (w/v) の濃度で添加し、混合することによって目的とする融合細胞（ハイブリドーマ）を形成する。続いて、適当な培養液を逐次添加し、遠心して上清を除去する操作を繰り返すことによりハイブリドーマの生育に好ましくない細胞融合剤等を除去する。

【0057】

このようにして得られたハイブリドーマは、通常の選択培養液、例えばHAT培養液（ヒポキサンチン、アミノプテリンおよびチミジンを含む培養液）で培養することにより選択される。上記HAT培養液での培養は、目的とするハイブリドーマ以外の細胞（非融合細胞）が死滅するのに十分な時間（通常、数日～数週間）継続する。ついで、通常の限界希釈法を実施し、目的とする抗体を産生するハイブリドーマのスクリーニングおよび単一クローニングを行う。

【0058】

また、ヒト以外の動物に抗原を免疫して上記ハイブリドーマを得る他に、ヒトリンパ球をin vitroで感作し、感作リンパ球をヒト由来の永久分裂能を有するミエローマ細胞と融合させ、結合活性を有する所望のヒト抗体を得ることもできる（特公平1-59878号公報参照）。さらに、ヒト抗体遺伝子の全てのレパートリーを有するトランスジェニック動物に抗原を投与して抗体産生細胞を取得し、これを不死化させた細胞から抗原に対するヒト抗体を取得してもよい（国際特許出願公開番号WO 94/25585 号公報、WO 93/12227 号公報、WO92/03918 号公報、WO 94/02602 号公報参照）。このようにして作製されるモノクローナル抗体を産生するハイブリドーマは、通常の培養液中で継代培養することが可能であり、また、液体窒素中で長期保存することが可能である。当該ハイブリドーマからモノクローナル抗体を取得するには、当該ハイブリドーマを通常の方法にしたがい培養し、その培養上清として得る方法、あるいはハイブリドーマをこれと適合性がある哺乳動物に投与して増殖させ、その腹水として得る方法などが採用される。前者の方法は、高純度の抗体を得るのに適しており、一方、後者の方法は、抗体の大量生産に適している。

【0059】

本発明では、モノクローナル抗体として、抗体遺伝子をハイブリドーマからクローニングし、適当なベクターに組み込んで、これを宿主に導入し、遺伝子組換え技術を用いて産生させた組換え型のものを用いることができる（例えば、Eur. J. Biochem., Vol.192, p.767-775, 1990参照）。

【0060】

具体的には、抗体を産生するハイブリドーマから、抗体の可変 (V) 領域をコードするmRNAを単離する。mRNAの単離は、公知の方法、例えば、グアニジン超遠心法 (Biochemistry, Vol.18, p.5294-5299, 1979)、AGPC法 (Anal. Biochem., Vol.162, p.156-159, 1987) 等により行って全RNAを調製し、mRNA Purification Kit (ファルマシア製) 等を使用して目的のmRNAを調製する。また、QuickPrep mRNA Purification Kit (ファルマシア製) を用いることによりmRNAを直接調製することもできる。得られたmRNAから逆転写酵素を用いて抗体V領域のcDNAを合成する。cDNAの合成は、AMV Reverse Transcriptase First-strand cDNA Synthesis Kit (生化学工業社製) 等を用いて行う。また、cDNAの合成および増幅を行うには、5'-Ampli FINDER RACE Kit (クロンテック製) およびPCRを用いた5'-RACE法 (Proc. Natl. Acad. Sci. USA, Vol.85, p.8998-9002, 1988, Nucleic Acids Res., Vol.17, p.2919-2932, 1989) 等を使用することができる。得られたPCR産物から目的とするDNA断片を精製し、ベクターDNAと連結する。さらに、これより組換えベクターを作製し、大腸菌等に導入してコロニーを選択して所望の組換えベクターを調製する。そして、目的とするDNAの塩基配列を公知の方法、例えば、ジデオキシヌクレオチドチェーンターミネーション法等により確認する。目的とする抗体のV領域をコードするDNAを得たのち、

これを、所望の抗体定常領域（C領域）をコードするDNAを含有する発現ベクターへ組み込む。

【0061】

抗体を製造するには、通常、抗体遺伝子を発現制御領域、例えば、エンハンサー、プロモーターの制御のもとで発現するよう発現ベクターに組み込む。次に、この発現ベクターにより、宿主細胞を形質転換し、抗体を発現させる。抗体遺伝子の発現は、抗体重鎖（H鎖）または軽鎖（L鎖）をコードするDNAを別々に発現ベクターに組み込んで宿主細胞を同時形質転換させてもよいし、あるいはH鎖およびL鎖をコードするDNAを単一の発現ベクターに組み込んで宿主細胞を形質転換させてもよい（WO 94/11523 号公報参照）。

【0062】

以上のように、本発明のDNA構築物又はベクターは、所望のタンパク質などの製造、アンチセンス法、RNAi法、遺伝子治療、DNAワクチン、トランスジェニック動物、抗体の作製などに適用することが可能である。

【0063】

さらに本発明は、本発明のベクターを、該ベクター上の β アクチンプロモーターと同じ動物目由来の宿主細胞に導入することを含む、宿主細胞において所望のDNAを発現させる方法に関する。

【0064】

動物目とは、生物分類のリンネ式階層分類において、綱の次下位、科階級群の上位におかれる基本的階級あるいは、その階級にあるタクソンのことをいう。具体的な動物目としては、例えば、ネズミ目、ウサギ目、ハネジネズミ目、ツパイ目などを挙げることができるが、ネズミ目が好ましい。ネズミ目には、ハムスター、ラット、マウス、モルモット、リス、ビーバーなどが含まれる。宿主細胞と同じ動物目由来の β アクチンプロモーターを用いることにより、所望の遺伝子の発現量を増加させることが可能となる。

【0065】

又本発明は、本発明のベクターを、該ベクター上の β アクチンプロモーターと同じ動物種由来の宿主細胞に導入することを含む、宿主細胞において所望のDNAを発現させる方法に関する。

【0066】

同じ動物種由来とは、宿主細胞がヒト細胞の場合にはヒト β アクチンプロモーターを用い、宿主細胞がマウス細胞の場合にはマウス β アクチンプロモーターを用い、宿主細胞がハムスター細胞の場合にはハムスター β アクチンプロモーターを用いることをいう。本方法によって、宿主細胞と同種由来の β アクチンプロモーターを用いることにより、所望の遺伝子の発現量を増加させることが可能となる。

【0067】

さらに本発明は、宿主細胞と同じ動物目由来の β アクチンプロモーターを用いることを特徴とする所望の遺伝子の発現量を増加させる方法に関する。動物目とは、上記に記載の定義による。宿主細胞と同じ動物目由来の β アクチンプロモーターを用いることにより、所望の遺伝子の発現量を増加させることが可能となる。

【0068】

又、本発明は、宿主細胞と同じ動物種由来の β アクチンプロモーターを用いることを特徴とする所望の遺伝子の発現量を増加させる方法に関する。同じ動物種由来とは、上記に記載の定義による。宿主細胞と同じ動物種由来の β アクチンプロモーターを用いることにより、所望の遺伝子の発現量を増加させることが可能となる。

【0069】

又、本発明においては所望のDNAの発現量を増加させる目的で、トランスアクティベーターを用いてもよい。トランスアクティベーターは、トランスアクティベーターをコードするDNAを含むベクターを宿主細胞に導入し、培養時にトランスアクティベーターが発現するようにしてもよいし、トランスアクティベーターを培地に添加してもよい。トランスアクティベーターをコードするDNAは、所望のタンパク質をコードするDNAと同一のベク

一上に組み込んでもよいし、異なるベクターに組み込んで両方のベクターを細胞に導入してもよい。

【実施例】

【0070】

以下、本発明を実施例により、さらに具体的に説明するが本発明はこれら実施例に制限されるものではない。

【0071】

〔実施例1〕 発現ベクターpmAct-Luc-neoの構築

(1) マウス β アクチンプロモーターのクローニング

NCBI (<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/>)、及びJackson laboratory (<http://www.jax.org/>) で公開されているマウスゲノム情報より、マウス β アクチンのシーケンス情報を得た。以下に示す配列のプライマーmAct5-F1 (5'- GGGAGTGAAGTCTCTGTCCATTCAATCC -3' / 配列番号: 6) およびmAct5-R1 (5'- TTGTCGACGACGACGCGAGCGATATCG -3' / 配列番号: 7) を合成し (エスベックオリゴ社)、PCRによってマウス β アクチンのプロモーター領域 (1,577 bp) を増幅した。試薬としてはタカラバイオ社のTaKaRa LA Taq with GC Buffer (cat. RR02AG)、鋳型DNAにはクロンテック社のMouse Genomic DNA (cat. 6650-1) を使用してPCRを行った。PCR反応溶液の組成は、鋳型DNA (100ng/ml) 1.0 μ l、2 \times GC buffer I 25.0 μ l、dNTP Mixture 8.0 μ l、mAct5-F1 (10 μ M) 2.0 μ l、mAct5-R1 (10 μ M) 2.0 μ l、H₂O 11.5 μ l、LA Taq (5U/ μ l) 0.5 μ lである。またPCRの条件は、95℃で1分、「95℃で30秒、60℃で30秒、72℃で90秒」を35サイクル、72℃で7分にて終結させる条件である。PCRにはGene Amp PCR System 2400 (アプライドバイオシステム社) を用いた。増幅したPCR産物は1% アガロースゲルに電気泳動した後に、1,577bpのバンドを切り出し、Mag Extractor (東洋紡社、cat. NPK-601) で精製した。これをpGEM-T-Easy vector (プロメガ社、cat. A1360) にクローニングし、シーケンスすることによって塩基配列を確認した。クローニングしたマウス β アクチン5' 領域を配列番号: 1 に示す。

【0072】

公共のデータベースの配列では、305番目から始まるTは13個の連続であるが、クローニングした領域は記載した配列の通り14個の連続したTであった。データベースと配列が異なるが、これをそのまま実験に用いることにした。また、上記の配列中、斜体で示した414番目から始まるCAAT、及び475番目から始まるTATAAはhouse keeping遺伝子のプロモーター領域によく見出される配列であり、得られた領域はマウス β アクチンのプロモーター領域であることが推察された。

【0073】

クローニングした領域はマウス β アクチンの開始コドン (上記配列中の1543番目から始まるATG) を含むこと、及びその後のベクター構築のために、プライマーmAct5-BG (5'- AGATCTGGGAGTGAAGTCTCTGTCCAT -3' / 配列番号: 8、Bgl IIサイトを含む) およびmAct5-HN (5'- AAGCTTGGCGAACTATCAAGACACAA -3' / 配列番号: 9、Hind IIIサイトを含む) を合成し (エスベックオリゴ社)、再度PCRすることによって必要な領域 (1~1542 / 配列番号: 2) にBgl II (5'末)、Hind III (3'末) サイトを付加した。

【0074】

PCR反応溶液の組成は、鋳型DNA (約10ng/ml) 1.0 μ l、2 \times GC buffer I 25.0 μ l、dNTP Mixture 8.0 μ l、mAct5-HN (10 μ M) 1.0 μ l、mAct5-BG (10 μ M) 1.0 μ l、H₂O 13.5 μ l、LA Taq (5U/ μ l) 0.5 μ lである。またPCRの条件は、95℃で30秒、「95℃で30秒、60℃で30秒、72℃で60秒」を30サイクル、72℃で7分にて終結させる条件である。PCRにはGene Amp PCR System 2400 (アプライドバイオシステム社) を用いた。増幅したPCR産物は前述のようにpGEM-T-Easy vectorにクローニングし、シーケンス確認を行った。こうして作製したマウス β アクチンフラグメントをpGL3-Basic (プロメガ社、cat. E1751) のBgl II-Hind IIIサイトに組み込んだ。さらに、pGL3-Basicはベクターにおける配列4650位のNot IサイトをBamH Iサイトに変換し、配列番号2004のBamH Iサイトとの間のベクター骨格を、pCXNベクターのベクター骨格 (BamH I- BamH Iフラグメント) と変換することで、ネオマイシ

ン耐性遺伝子を導入し、pmAct-Luc-neoとした(図1)。なお、pGL3-Basicのベクター骨格を変換したベクターを、以下pGLNベクターと称する。

【0075】

(2) WPREのクローニングとpmAct-WPRE-Luc-neoの作製

Woodchuck hepatitis virusゲノム配列(GenBank Accession No. J04514)の1093番目から1684番目の592塩基が転写後調節領域(WPRE)は、以下のようにAssemble PCR法を用いて増幅し、クローニングした。タカラバイオ社のTaKaRa Ex Taq (cat. RR001B) を使用して、以下のような二つの条件系でPCRを行った。

【0076】

<PCR反応1>

まず、反応溶液の組成: 合成DNA(WP-1~WP-6, 各10 μ M, 各1 μ L) 6.0 μ L、10x Ex Taq buffer 5.0 μ L、dNTP Mixture 8.0 μ L、H₂O 28.5 μ L、Ex Taq (5U/ μ L) 0.5 μ L、反応条件: 94℃で5分、「94℃で2分、55℃で2分、72℃で2分」を2サイクル、によりPCR反応を行った。さらに、プライマーWP-f (10 μ M) 1.0 μ L、WP-r2 (10 μ M) 1.0 μ Lを添加し総量を50.0 μ Lとし、反応条件: 「94℃で30秒、55℃で30秒、72℃で1分」で30サイクル、72℃で5分、によりPCR反応を行った。

【0077】

<PCR反応2>

まず、反応溶液の組成: 合成DNA(WP-5~WP-17, 各10 μ M, 各1 μ L) 13.0 μ L、10x Ex Taq buffer 5.0 μ L、dNTP Mixture 8.0 μ L、H₂O 21.5 μ L、Ex Taq (5U/ μ L) 0.5 μ L、反応条件: 94℃で5分、「94℃で2分、55℃で2分、72℃で2分」を2サイクル、によりPCR反応を行った。さらに、プライマーWP-f2 (10 μ M) 1.0 μ L、WP-r (10 μ M) 1.0 μ Lを添加し総量を50.0 μ Lとし、反応条件: 「94℃ 30秒、55℃ 30秒、72℃ 1分」で30サイクル、72℃ 5分、によりPCR反応を行った。

【0078】

PCRにはGene Amp PCR System 2400 (アプライドバイオシステム社) を用いた。増幅したPCR産物は1% アガロースゲルに電気泳動した後に、反応1は約200bp、反応2は約400bpのバンドを切り出し、QIAquick Gel Extraction Kit (キアゲン社、cat.28704) で精製した。

【0079】

各反応産物を用いて、さらにPCRを行った。試薬は、タカラバイオ社のTaKaRa Ex Taq (cat. RR001B) を使用した。反応溶液の組成: 反応1産物 1.0 μ L、反応2産物 1.0 μ L、10x Ex Taq buffer 5.0 μ L、dNTP Mixture 8.0 μ L、WP-f (10 μ M) 1.0 μ L、WP-r (10 μ M) 1.0 μ L、H₂O 32.5 μ L、Ex Taq (5U/ μ L) 0.5 μ L、反応条件: 94℃ 30秒、「94℃ 15秒、72℃ 2分」を5サイクル、「94℃ 15秒、70℃ 2分」を5サイクル、「94℃ 15秒、68℃ 2分」を28サイクル、72℃ 5分、によりPCR反応を行った。

【0080】

増幅したPCR産物は1% アガロースゲルに電気泳動した後に、約600bpのバンドを切り出し、QIAquick Gel Extraction Kit (キアゲン社、cat.28704) で精製した。反応産物をpGEM-T-Easy vector (プロメガ社、cat.A1360) にクローニングし、塩基配列を決定した。GenBank Accession No. J04514の1093番目から1684番目の配列と同じ配列であることを確認した。pGEM-T/WPREをXbaIで消化し、得られたWPRE断片をpmAct-Luc-neoのXbaI部位に挿入し、pmAct-WPRE-Luc-neoを作製した。配列番号: 3にクローニングしたWPRE配列および使用した合成DNAを、使用した合成DNA(配列番号: 13から33)を以下に示す。

<使用した合成DNA>

WP-1: AATCAACCTCTGGATTACAAAATTTGTGAAAGATTGACTGGTATTCTTAA (配列番号: 13)

WP-2: GCGTATCCACATAGCGTAAAAGGAGCAACATAGTTAAGAATACCAGTCAA (配列番号: 14)

WP-3: ACGCTATGTGGATACGCTGCTTTAATGCCTTTGTATCATGCTATTGCTTC (配列番号: 15)

WP-4: TTATACAAGGAGGAGAAAATGAAAGCCATACGGAAGCAATAGCATGATA (配列番号: 16)

WP-5: TTCTCCTCCTTGATAAATCCTGGTTGCTGTCTCTTTATGAGGAGTTGTG (配列番号: 17)

WP-6: GTGCACACCACGCCACGTTGCTGACAACGGGCCACAACCTCCTCATAAAG (配列番号: 18)
WP-7: CGTGGCGTGGTGTGCACTGTGTTTGTGACGCAACCCCCACTGGTTGGGG (配列番号: 19)
WP-8: GTCCCGGAAAGGAGCTGACAGGTGGTGGCAATGCCCAACCAAGTGGGGGT (配列番号: 20)
WP-9: CAGCTCCTTTCCGGGACTTTTCGCTTTCCCCCTCCCTATTGCCACGGCGGA (配列番号: 21)
WP-10: TGTCCAGCAGCGGGCAAGGCAGGCGCGATGAGTTCCGCGTGGCAATAG (配列番号: 22)
WP-11: TTGCCGCTGCTGGACAGGGGCTCGGCTGTTGGGCACTGACAATTCCGTG (配列番号: 23)
WP-12: CCATGGAAGGACGTCAGCTTCCCCGACAACACCGGAATTGTCAGTGC (配列番号: 24)
WP-13: TGACGTCTTTCCATGGCTGCTCGCTGTGTTGCCACCTGGATTCTGCGC (配列番号: 25)
WP-14: GAGGGCCGAAGGGACGTAGCAGAAGGACGTCCCGCGCAGAATCCAGGTGG (配列番号: 26)
WP-15: ACGTCCCTTCGGCCCTCAATCCAGCGGACCTTCCTTCCCGCGGCTGCTG (配列番号: 27)
WP-16: GAGGGCGAAGGCGAAGACGCGGAAGAGGCCGAGAGCCGGCAGGCGCGGGAAG (配列番号: 28)
)
WP-17: GTCTTCGCCTTCGCCCTCAGACGAGTCGGATCTCCCTTTGGGCCGCTCCCCGCTG (配列番号: 29)
)
WP-f: TCTAGAAATCAACCTCTGGATTACAAAATT (配列番号: 30)
WP-r: TCTAGAAGCGGGGAGGCGGCCAAA (配列番号: 31)
WP-f2: ATCCTGGTTGCTGTCTCTTTATGAG (配列番号: 32)
WP-r2: GTGCACACCACGCCACGTTGCC (配列番号: 33)

【0081】

(2) phCMV-mAct-Luc-neoの作製

CMVエンハンサー領域(配列番号: 4)をpmAct-Luc-neoベクターのEcoR Iサイトにクローニングし、phCMV-mAct-Luc-neoを完成させた(図1)。

【0082】

(3) 比較対象となるベクターの構築

ヒトEF1 α プロモーターはDHFR- Δ E-RVh-PM1-f(参考文献 W092/19759)よりCMVエンハンサーと共にpGLNベクターのMCSに組み込むことで、pCEF-Luc-neoを作製した(図1)。実験に用いた全てのベクターは、キアゲン社のEndoFree Plasmid Maxi Kit (cat.12362)によって精製した。

【0083】

【実施例2】ベクターのCHO細胞への導入および発現測定

(1) ベクターのCHO細胞への導入

2 μ gのベクターをそれぞれ20 μ lのPLUS(tm) Reagent (インビトロジェン社、Cat. No. 11514-015)と混合し、OPTI-MEM I Reduced-Serum Medium (インビトロジェン社、Cat. No. 11058-021)で容量を200 μ lに調整し、室温で15分間保温した。ここに、LipofectAMINE (インビトロジェン社、Cat. No. 18324-012)を20 μ l、OPTI-MEM I Reduced-Serum Mediumを180 μ l加え、室温でさらに15分間保温した。CHO細胞は96well Cell Culture Cluster (コーニング社、Cat. No. 3595)で1ウェルあたり 2×10^4 cells、50 μ lのOPTI-MEM I Reduced-Serum Mediumで調整した。上記で作製したDNA溶液20 μ lをCHO細胞に添加し、37 $^{\circ}$ C、3時間、CO $_2$ インキュベーター内で培養することで、ベクターをCHO細胞に導入した。その後、培養上清を静かに除き、CHO用の培地を加えた。CHO用の培地は、CHO-S-SFMII培地(インビトロジェン社、Cat. No. 12052-098)に1/100量のHT Supplement (100 \times)、liquid (インビトロジェン社、Cat. No. 11067-030)と、1/100量のPenicillin-Streptomycin (インビトロジェン社製、Cat. No. 15140-122)を添加することで作製したものを使用した。この状態のまま、37 $^{\circ}$ C、CO $_2$ インキュベーター内で2日間培養した。

【0084】

(2) ルシフェラーゼ活性の測定

ルシフェラーゼ活性は、Luciferase Assay System (プロメガ社、Cat. No. E1501)を用いて測定した。培地を除き、1ウェルあたりキットに添付されている5 \times Passive lysis bufferを5倍に薄めたものを100 μ l加え、振倒することで細胞を溶解した。その細胞溶解液をAssay Plate Tissue Culture Treated White with Clear Bottom(コーニング社、Cat

No. 437842)に10 μ lずつ移した。測定はMicroLumat(パートホールド社)を用いて行い、データはソフトWinGlow-Control Program LB96PV ver.1.24を用いて取り込んだ。

【0085】

以上の測定の結果より、作製したpmAct-Luc-neoがpCEF-Luc-neoよりも有意に($p<0.0009$: 対応のないt検定)活性が高いことが明らかになった(図2)。以上のことから、本発明であるマウス β アクチンプロモーターは、既存のCEFプロモーターよりも強力であることが示された。さらに、WPREエレメントの付加や、あるいはCMVエンハンサーを付加することによって、マウス β アクチンのプロモーター活性が有意に(pmAct-WPRE-Luc-neoとpmAct-Luc-neoの比較: $p<0.0005$ 、phCMV-mAct-Luc-neoとpmAct-Luc-neoの比較: $p<0.0007$: 対応のないt検定)亢進することも明らかになった(図3)。

【0086】

〔実施例3〕 マウスc-H-ras遺伝子のクローニングおよび改変

(1) マウスc-H-ras遺伝子のクローニング

ヒト活性型H-Rasがヒト β アクチンプロモーターを組み込んだ発現ベクターの発現効率を亢進することは既に報告されている(Cytotechnology, Vol. 16, p.167-178, 1994)。しかし、マウス β アクチンプロモーターに対する活性型H-Ras、あるいは野生型のH-Ras、活性型K-Rasの効果に関する報告は無いことから、マウスH-Ras(活性型、野生型)、ヒト活性型K-Rasのマウス β アクチンプロモーターに対する効果について検討を行った。

【0087】

NCBI (<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/>) で公開されているGenBank Accession No. M30733の情報より、プライマーmRas-F1 (5'- TCCTGGATTGGCAGCCGCTGTAGAAGC -3' / 配列番号: 34) およびmRas-R1 (5'- GTTCATCTGGCTAGCTGAGGTCAGTGC -3' / 配列番号: 35) を合成し(エスベックオリゴ社)、PCRによってマウスc-H-ras遺伝子を増幅した。試薬としてはタカラバイオ社のTaKaRa LA Taq with GC Buffer、鋳型cDNAにはクロンテック社のEmbryo Marathon-Ready DNA day15(cat. 7459-1)を使用してPCRを行った。

【0088】

PCR反応溶液の組成は、鋳型DNA 1.0 μ l、2 \times GC buffer I 25.0 μ l、dNTP Mixture 8.0 μ l、mRas-F1 (10 μ M) 2.0 μ l、mRas-R1 (10 μ M) 2.0 μ l、H₂O 11.5 μ l、LA Taq (5U/ μ l) 0.5 μ lである。またPCRの条件は、95 $^{\circ}$ Cで60秒、「95 $^{\circ}$ Cで30秒、60 $^{\circ}$ Cで30秒、72 $^{\circ}$ Cで60秒」を35サイクル、72 $^{\circ}$ Cで7分にて終結させる条件である。PCRにはGene Amp PCR System 2400(アプライドバイオシステム社)を用いた。増幅したPCR産物は1% アガロースゲルに電気泳動した後に、660bpのバンドを切り出し、Mag Extractor(東洋紡社)で精製した。これをpGEM-T-Easy vector(プロメガ社)にクローニングし、シーケンスすることによって塩基配列を確認した。確認したマウスc-H-rasのcDNA配列を配列番号: 5に示す。データベースでは62番目の塩基がAであったが、クローニングしたc-H-rasはGであった。NCBIのマウスゲノムデータベースで検索したところ、この部分の配列はGであったので、そのまま実験に使用することにした。

【0089】

(2) マウスc-H-rasの改変

CHO細胞で効率よくマウスc-H-Rasを発現させるために、プライマーRAS-ATG (5'- GCCAC CATGACAGAATACAAGCTT -3' / 配列番号: 36) およびRAS-R2 (5'- TCAGGACAGCACACATTTCG -3' / 配列番号: 37) を用いたPCRによって、開始コドンの上流の配列をKozak rule(Ni cleic Acids Research, Vol.15(20), p.8125-8148, 1987)に従った配列に変換するとともに、タンパク質がコードされている3'UTRを除去した。試薬としてはタカラバイオ社のTaKaRa LA Taq(cat. RR002A)、鋳型cDNAには先にpGEM-T-Easyベクターにクローニングしたマウスc-H-rasを鋳型に用いて以下のような条件系でPCRを行った。

【0090】

PCR反応溶液の組成は、鋳型DNA 1.0 μ l、10 \times LA PCR buffer II(Mg²⁺free) 5.0 μ l、dNTP Mixture 5.0 μ l、MgCl₂(25mM) 5.0 μ l、RAS-ATG (10 μ M) 2.0 μ l、RAS-R2 (10 μ M) 2.0 μ l、H₂O 29.5 μ l、LA Taq (5U/ μ l) 0.5 μ lである。またPCRの条件は、95 $^{\circ}$ Cで60秒、「

95℃で30秒、60℃で30秒、72℃で60秒」を35サイクル、72℃で7分にて終結させる条件である。PCRにはGene Amp PCR System 2400 (アプライドバイオシステム社)を用いた。増幅したPCR産物は1% アガロースゲルに電気泳動した後に、576bpのバンドを切り出し、Mag Extractor (東洋紡社)で精製した。これをpGEM-T-Easy vector (プロメガ社)にクローニングし、シーケンスすることによって塩基配列を確認した。改変したマウスc-H-rasのcDNA配列を配列番号: 6に示す。

【0091】

(3) マウス活性型H-Rasの作製

ストラタジーン社のQuikChange™ Site-Directe Mutagenesis Kit(cat.#200518)を用いて、上記のマウスc-H-rasに点変異(上の配列の下線を引いたGをTに変換)を入れることによって12番目のアミノ酸をバリニンに変換することで活性型H-Rasを作製した。使用したプライマーは、mRasV12-F (5'-GTGGTGGGCGCTGTAGGCGTGGGA AAG-3'/配列番号: 38) および、mRasV12-R (5'-CTTCCCACGCCTACAGCGCCACCAC-3'/配列番号: 39)であり、反応溶液の組成: 鋳型DNA、H-Ras/pGEM-T-Easy(10ng/μl) 2.0μl、10×reaction buffer 5.0μl、dNTP Mix 1.0μl、mRasV12-F (100ng/μl) 1.25μl、mRasV12-R (100ng/μl) 1.25μl、H₂O 38.5μl、PfuTurbo DNA polymerase (2.5U/μl) 1.0μl、反応条件: 95℃で30秒、「95℃で30秒、55℃で1分、68℃で7分20秒」で12サイクルにてPCR反応を行った。PCRにはGene Amp PCR System 2400を用いた。増幅したPCR産物をキットのマニュアルに従って、Dpn I処理した後に大腸菌にトランスフォームした。そして、得られた大腸菌からプラスミドを回収してシーケンスすることによって変異が導入されていることを確認した。マウス活性型H-Rasのアミノ酸配列を配列番号: 7に示す。

【0092】

同様にヒト活性型K-Rasを準備した。実験に使用したK-Rasのアミノ酸配列を配列番号: 8に示す。

これらの遺伝子は、すべてpCXNベクター (Gene, Vol.108, p.193-200, 1991) に組み込んで、それぞれをpCXN-H-Ras (マウスc-H-ras)、pCXN-A-H-Ras (マウス活性型c-H-ras)、及びpCXN-A-K-Ras (ヒト活性型K-ras) とした。

【0093】

【実施例4】 癌遺伝子産物Rasのプロモーター活性への影響

(1) ベクターのCHO細胞への導入

CHO細胞に導入する2μgのベクターは、以下のように2種類、あるいは3種類のベクターを、様々な割合で混合することで調整した(表1)。実施例2と同じ方法でCHO細胞に導入し、ルシフェラーゼ活性を測定した。

【0094】

【表1】

	10:1	100:1	1000:1	1:0
pmAct-Luc-neo	1μg	1μg	1μg	1μg
pCXN-H-Ras もしくは pCXN-A-H-Ras もしくは pCXN-A-K-Ras	0.1μg	0.01μg	0.001μg	0μg
pCXN	0.9μg	0.99μg	0.999μg	1μg
Total	2μg	2μg	2μg	2μg

【0095】

この結果より、pmAct-Luc-neoがpCXN-H-Ras (マウスc-H-ras)、pCXN-A-H-Ras (マウス活性型c-H-ras)、及びpCXN-A-K-Ras (ヒト活性型c-K-ras) の存在によって、プロモータ

一活性が亢進することが明らかになった(図4)。以上のことから、本発明であるマウス β アクチンプロモーターは、癌遺伝子産物のRas(活性型、野生型、H-Ras、K-Rasを問わない)によってより強力な活性を付与されることが示された。

【図面の簡単な説明】

【0096】

【図1】 実験に使用したベクターを示した図である。

【図2】 既存のプロモーターであるCEFプロモーターとマウス β アクチンプロモーターを比較した図である。

【図3】 マウス β アクチンプロモーターに対するWPRE、CMVエンハンサーの効果を示した図である。

【図4】 マウスRas蛋白質のマウス β アクチンプロモーターに対する効果を示した図である。

【配列表】

SEQUENCE LISTING

<110> CHUGAI SEIYAKU KABUSHIKI KAISHA

<120> Expression systems using mammalian β -Actin promoter

<130> C1-A0311

<160> 39

<170> PatentIn version 3.1

<210> 1

<211> 1577

<212> DNA

<213> Mus musculus

<400> 1
gggagtgact ctctgtccat tcaatccagg ccccgctgtt ccctcaaaca agaggccaca 60
caaatagggt ccgggcctcg atgctgacct tcatccactt aagtgtcga tatccacgtg 120
acatccacac ccagagggtc ctgggggtgtg tgggtgacct ccagaatgca ggcctagtaa 180
ccgagacatt gaatggggca gtgtccacaa gggcgagggc tattcctgta catctgggcc 240
tacggagcca gcacccatcg ccaaaactct tcatcctctt cctcaatctc gctttctctc 300
tcgctttttt ttttttttct tcttcttttt tttttttttt ttcaaaagga ggggagaggg 360
ggtaaaaaaa tgctgcactg tgccggcgagg ccggtgagtg agcgacgcgg agccaatcag 420
cgcccgcctt tccgaaagt gccttttatg gctcgagtgg ccgctgtggc gtcctataaa 480
acccggcggc gcaacgcgca gccactgtcg agtcgcgtcc acccgcgagc acagcttctt 540
tgcagctcct tcgttgccgg tccacacccg ccaccaggta agcagggacg ccgggcccag 600
cgggccttcg ctctctctgt gctagtacct cactgcaggg tcctgaggat cactcagaac 660
ggacaccatg ggccgggtgga ggggtggtgcc gggccgcgga gcggacactg gcacagccaa 720
ctttacgcct agcgtgtaga ctctttgcag ccacattccc gcggtgtaga cactcgtggg 780
cccgtccccg ctcggtgcgt ggggcttggg gacacactag ggtcgcggtg tgggcatttg 840
atgagccggt gcggcttgcg ggtgttaaaa gccgtattag gtccatcttg agagtacaca 900
gtattgggaa ccagacgcta cgatcacgcc tcaatggcct ctgggtcttt gtccaaaccg 960

gtttgcctat teggcttgcc gggcgggcgg gcgggcgggc gggcgcggca gggccggctc 1020
ggccgggtgg gggctgggat gccactgcgc gtgcgtcttc tatcactggg catcgaggcg 1080
cgtgtgcgct agggagggag ctcttcctct cccctcttc ctagttagct gcgcgtgcgt 1140
attgaggctg ggagcgcggc tgcccggggt tgggcgaggg cggggccgtt gtccggaagg 1200
ggcggggtca cagtggcacg ggcgccttgt ttgcgcttc tgctgggtgt ggtcgcctcc 1260
cgcgcgcgca caagccgcc gtcggcgcag ttaggcgga gcttgcgcc gtttggggag 1320
ggggcggagg tctggcttcc tgccctaggt ccgcctccgg gccagcgttt gccttttatg 1380
gtaataatgc ggccggtctg cgcttccctt gtcccctgag cttgggcgcg cggccctgg 1440
cggctcgagc ccgcggcttg ccggaagtgg gcaggcggc agcggctgct cttggcggcc 1500
ccgaggtgac tatagccttc ttttgtgtct tgatagttcg ccatggatga cgatatcgct 1560
gcgctgggtcg tcgacaa 1577

<210> 2
<211> 1542
<212> DNA
<213> Mus musculus

<400> 2
gggagtgact ctctgtccat tcaatccagg ccccgcggtgt ccctcaaaca agaggccaca 60
caaatagggt ccgggcctcg atgctgacct tcatccactt aagtgtcga tatccacgtg 120
acatccacac ccagagggtc ctgggggtgg tgggtgacct ccagaatgca ggcctagtaa 180
ccgagacatt gaatggggca gtgtccacaa gggcggaggc tattcctgta catctgggcc 240
tacggagcca gcacccatcg caaaaactct tcatcctctt cctcaatctc gctttctctc 300
tcgctttttt ttttttttct tcttctttt tttttttt ttcaaaagga ggggagaggg 360
ggtaaaaaaa tgctgcactg tgcggcgagg ccggtgagtg agcgacgcgg agccaatcag 420
cgcccgcgt tccgaaagt gccttttatg gctcgagtgg ccgctgtggc gtcctataaa 480
acccggcggc gcaacgcgca gccactgtcg agtcgcgtcc acccgcgagc acagcttctt 540
tgcagctcct tcgttgccgg tccacacccg ccaccaggta agcagggacg ccgggcccag 600

cgggccttcg ctctctcgtg gctagtagct cactgcaggg tcctgaggat cactcagaac 660
ggacaccatg ggcgggtgga ggggtggtgcc gggccgcgga gcggacactg gcacagccaa 720
ctttacgcct agcgtgtaga ctctttgcag ccacattccc gcggtgtaga cactcgtggg 780
cccgtccccg ctcggtgcgt ggggcttggg gacacactag ggtcgcggtg tgggcatttg 840
atgagccggt gcggcttgcg ggtgttaaaa gccgtattag gtccatcttg agagtacaca 900
gtattgggaa ccagacgcta cgatcacgcc tcaatggcct ctgggtcttt gtccaaaccg 960
gtttgcctat tcggcttgcc gggcgggcgg gcgggcgggc gggcgcggca gggccggctc 1020
ggccgggttg gggctgggat gccactgcgc gtgcgctctc tatcactggg catcgaggcg 1080
cgtgtgcgct agggaggagg ctcttcctct cccctcttc ctagttagct gcgcgtgcgt 1140
attgaggctg ggagcgcggc tgcccggggt tgggcgaggg cggggccggt gtccggaagg 1200
ggcggggtca cagtggcacg gggccttgt ttgcgcttc tgctgggtgt ggtcgcctcc 1260
cgcgcgcgca caagccgccc gtcggcgag tgtaggcgga gcttgcgccc gtttggggag 1320
ggggcggagg tctggcttc tgccctaggt ccgcctccgg gccagcgtt gccttttatg 1380
gtaataatgc ggccggtctg cgcttccttt gtccctgag ctgggcgcg cggcccttg 1440
cggctcgagc ccgcggttg ccggaagtgg gcagggcggc agcggctgct cttggcggcc 1500
ccgaggtgac tatagccttc ttttgtgtct tgatagttcg cc 1542

<210> 3
<211> 604
<212> DNA
<213> Woodchuck hepatitis virus

<400> 3
tctagaaatc aacctctgga ttacaaaatt tgtgaaagat tgactggtat tcttaactat 60
gttgctcctt ttacgctatg tggatacgct gctttaatgc ctttgtatca tgctattgct 120
tcccgtagtg ctttcatttt ctctccttg tataaatcct ggttgctgtc tctttatgag 180
gagttgtggc ccgttgtcag gcaacgtggc gtggtgtgca ctgtgtttgc tgacgcaacc 240
cccactggtt ggggcattgc caccacctgt cagctccttt ccgggacttt cgctttcccc 300
ctccctattg ccacggcgga actcatcgcc gcctgccttg cccgctgctg gacaggggct 360

cggctgttgg gcaactgacaa ttccgtggtg ttgtcgggga agctgacgtc ctttccatgg 420
 ctgctcgctt gtgttgccac ctggattctg cgcgggacgt ctttctgcta cgtcccttcg 480
 gccctcaatc cagcggacct tccttcccgc ggcttgcctg cggctctgcg gcctcttccg 540
 cgtcttcgcc ttcgccctca gacgagtcgg atctcccttt gggccgcctc cccgcctgtc 600
 taga 604

<210> 4
 <211> 366
 <212> DNA
 <213> Homo sapiens

<400> 4
 tagttattaa tagtaatcaa ttacggggtc attagttcat agcccatata tggagttccg 60
 cgttacataa cttacggtaa atggcccgcc tggctgaccg cccaacgacc cccgcccatt 120
 gacgtcaata atgacgtatg ttcccatagt aacgccaata gggactttcc attgacgtca 180
 atgggtggag tattttacgg aaactgccc cttggcagta catcaagtgt atcatatgcc 240
 aagtacgccc cctattgacg tcaatgacgg taaatggccc gcctggcatt atgcccagta 300
 catgacctta tgggactttc ctacttggca gtacatctac gtattagtca tcgctattac 360
 catggt 366

<210> 5
 <211> 660
 <212> DNA
 <213> Mus musculus

<400> 5
 tcctggattg gcagccgctg tagaagctat gacagaatac aagcttgtgg tggtagggcg 60
 tggaggcgtg ggaaagagt ccctgaccat ccagctgac cagaaccact ttgtggacga 120
 gtatgatccc actatagagg actcctaccg gaaacaggtg gtcattgatg gggagacatg 180
 tctactggac atcttagaca cagcaggtca agaagagtat agtgccatgc gggaccagta 240
 catgcgaca ggggagggct tcctctgtgt atttgccatc aacaacacca agtccttcga 300
 ggacatccat cagtacaggg agcagatcaa gcgggtgaaa gattcagatg atgtgccaat 360

ggtgctggtg ggcaacaagt gtgacctggc tgctcgact gttgagtctc ggcaggccca 420
 ggaccttgct cgcagctatg gcatccccta cattgaaaca tcagccaaga cccggcaggg 480
 cgtggaggat gccttctata cactagtccg tgagattcgg cagcataaat tgcggaaact 540
 gaaccacccc gatgagagtg gtcctggctg catgagctgc aaatgtgtgc tgtcctgaca 600
 ccaggtgagg cagggaccag cgagacgtct ggggcagtga cctcagctag ccagatgaac 660

<210> 6
 <211> 576
 <212> DNA
 <213> Mus musculus

<400> 6
 gccaccatga cagaatacaa gcttgtggtg gtggcgctg gaggcgtggg aaagagtgcc 60
 ctgaccatcc agctgatcca gaaccacttt gtggacgagt atgatccac tatagaggac 120
 tcctaccgga aacaggtggt cattgatggg gagacatgtc tactggacat cttagacaca 180
 gcaggtcaag aagagtatag tgccatgcgg gaccagtaca tgcgcacagg ggagggcttc 240
 ctctgtgtat ttgcatcaa caacaccaag tccttcgagg acatccatca gtacaggag 300
 cagatcaagc gggtgaaaga ttcagatgat gtgccaatgg tgctgggtggg caacaagtgt 360
 gacctggctg ctcgcactgt tgagtctcgg caggcccagg accttgctcg cagctatggc 420
 atcccctaca ttgaaacatc agccaagacc cggcagggcg tggaggatgc cttctataca 480
 ctagtccgtg agattcggca gcataaattg cggaactga acccaccga tgagagtgg 540
 cctggctgca tgagctgcaa atgtgtgctg tcctga 576

<210> 7
 <211> 189
 <212> PRT
 <213> Mus musculus

<400> 7
 Met Thr Glu Tyr Lys Leu Val Val Val Gly Ala Val Gly Val Gly Lys
 1 5 10 15

Ser Ala Leu Thr Ile Gln Leu Ile Gln Asn His Phe Val Asp Glu Tyr
 20 25 30

Asp Pro Thr Ile Glu Asp Ser Tyr Arg Lys Gln Val Val Ile Asp Gly
35 40 45

Glu Thr Cys Leu Leu Asp Ile Leu Asp Thr Ala Gly Gln Glu Glu Tyr
50 55 60

Ser Ala Met Arg Asp Gln Tyr Met Arg Thr Gly Glu Gly Phe Leu Cys
65 70 75 80

Val Phe Ala Ile Asn Asn Thr Lys Ser Phe Glu Asp Ile His Gln Tyr
85 90 95

Arg Glu Gln Ile Lys Arg Val Lys Asp Ser Asp Asp Val Pro Met Val
100 105 110

Leu Val Gly Asn Lys Cys Asp Leu Ala Ala Arg Thr Val Glu Ser Arg
115 120 125

Gln Ala Gln Asp Leu Ala Arg Ser Tyr Gly Ile Pro Tyr Ile Glu Thr
130 135 140

Ser Ala Lys Thr Arg Gln Gly Val Glu Asp Ala Phe Tyr Thr Leu Val
145 150 155 160

Arg Glu Ile Arg Gln His Lys Leu Arg Lys Leu Asn Pro Pro Asp Glu
165 170 175

Ser Gly Pro Gly Cys Met Ser Cys Lys Cys Val Leu Ser
180 185

<210> 8
<211> 188
<212> PRT
<213> Homo sapiens

<400> 8
Met Thr Glu Tyr Lys Leu Val Val Val Gly Ala Val Gly Val Gly Lys
1 5 10 15

Ser Ala Leu Thr Ile Gln Leu Ile Gln Asn His Phe Val Asp Glu Tyr
20 25 30

Asp Pro Thr Ile Glu Asp Ser Tyr Arg Lys Gln Val Val Ile Asp Gly
35 40 45

Glu Thr Cys Leu Leu Asp Ile Leu Asp Thr Ala Gly Gln Glu Glu Tyr
50 55 60

Ser Ala Met Arg Asp Gln Tyr Met Arg Thr Gly Glu Gly Phe Leu Cys
65 70 75 80

Val Phe Ala Ile Asn Asn Thr Lys Ser Phe Glu Asp Ile His His Tyr
85 90 95

Arg Glu Gln Ile Lys Arg Val Lys Asp Ser Glu Asp Val Pro Met Val
100 105 110

Leu Val Gly Asn Lys Cys Asp Leu Pro Ser Arg Thr Val Asp Thr Lys
115 120 125

Gln Ala Gln Asp Leu Ala Arg Ser Tyr Gly Ile Pro Phe Ile Glu Thr
130 135 140

Ser Ala Lys Thr Arg Gln Gly Val Asp Asp Ala Phe Tyr Thr Leu Val
145 150 155 160

Arg Glu Ile Arg Lys His Lys Glu Lys Met Ser Lys Asp Gly Lys Lys
165 170 175

Lys Lys Lys Lys Ser Lys Thr Lys Cys Val Ile Met
180 185

<210> 9
<211> 27
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Pri
mer Sequence

<400> 9
gggagtgact ctctgtccat tcaatcc 27

<210> 10
<211> 27
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Pri
mer Sequence

<400> 10
ttgtcgacga ccagcgcagc gatatcg 27

<210> 11
<211> 26
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 11
agatctggga gtgactctct gtccat 26

<210> 12
<211> 26
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 12
aagcttggcg aactatcaag acacaa 26

<210> 13
<211> 50
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 13
aatcaacctc tggattacaa aatttgtgaa agattgactg gtattcttaa 50

<210> 14
<211> 50
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 14

gcgtatccac atagcgtaaa aggagcaaca tagttaagaa taccagtcaa

50

<210> 15
<211> 50
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 15
acgctatgtg gatacgctgc tttaatgcct ttgtatcatg ctattgcttc

50

<210> 16
<211> 50
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 16
ttatacaagg aggagaaaat gaaagccata cgggaagcaa tagcatgata

50

<210> 17
<211> 50
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 17
ttctcctcct tgtataaatc ctggttgctg tctctttatg aggagttgtg

50

<210> 18
<211> 50
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 18
gtgcacacca cgccacgttg cctgacaacg ggccacaact cctcataaag 50

<210> 19
<211> 50
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 19
cgtggcgtgg tgtgcactgt gtttgctgac gcaaccccca ctggttgggg 50

<210> 20
<211> 50
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 20
gtcccggaaa ggagctgaca ggtggtggca atgccccaac cagtgggggt 50

<210> 21
<211> 50
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 21
cagctccttt ccgggacttt cgctttcccc ctccctattg ccacggcgga 50

<210> 22
<211> 50
<212> DNA
<213> Artificial

<220>

<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 22

tgtccagcag cgggcaaggc aggcggcgat gagttccgcc gtggcaatag 50

<210> 23

<211> 50

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 23

ttgcccgctg ctggacaggg gctcggctgt tgggcactga caattccgtg 50

<210> 24

<211> 50

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 24

ccatggaaag gacgtcagct tccccgacaa caccacggaa ttgtcagtgc 50

<210> 25

<211> 50

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 25

tgacgtcctt tccatggctg ctgcctgtg ttgccacctg gattctgcgc 50

<210> 26

<211> 50

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 26

gagggccgaa gggacgtagc agaaggacgt cccgcgcaga atccaggtgg 50

<210> 27

<211> 50

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 27

acgtcccttc ggccctcaat ccagcggacc ttccttcccg cggcctgctg 50

<210> 28

<211> 57

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 28

gagggcgaag gcgaagacgc ggaagaggcc gcagagccgg cagcaggccg cgggaag 57

<210> 29

<211> 56

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 29

gtcttcgcct tcgccctcag acgagtcgga tctccctttg ggccgcctcc ccgcct 56

<210> 30

<211> 30

<212> DNA
<213> Artificial

<220>

<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 30
tctagaaatc aacctctgga ttacaaaatt 30

<210> 31
<211> 26
<212> DNA
<213> Artificial

<220>

<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 31
tctagaaggc ggggaggcgg cccaaa 26

<210> 32
<211> 25
<212> DNA
<213> Artificial

<220>

<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 32
atcctggttg ctgtctcttt atgag 25

<210> 33
<211> 22
<212> DNA
<213> Artificial

<220>

<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 33
gtgcacacca cgccacgttg cc 22

<210> 34
<211> 27
<212> DNA
<213> Artificial

<220>

<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 34
tcctggattg gcagccgctg tagaagc 27

<210> 35
<211> 27
<212> DNA
<213> Artificial

<220>

<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 35
gttcatctgg ctagctgagg tcactgc 27

<210> 36
<211> 24
<212> DNA
<213> Artificial

<220>

<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 36
gccacatga cagaatacaa gctt 24

<210> 37
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial

<220>

<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 37
tcaggacagc acacatttgc 20

<210> 38
<211> 27
<212> DNA
<213> Artificial

<220>

<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

<400> 38

gtggtgggcg ctgtaggcgt gggaaag

27

<210> 39
<211> 27
<212> DNA
<213> Artificial

<220>

<223> Description of Artificial Sequence : Artificially Synthesized Primer Sequence

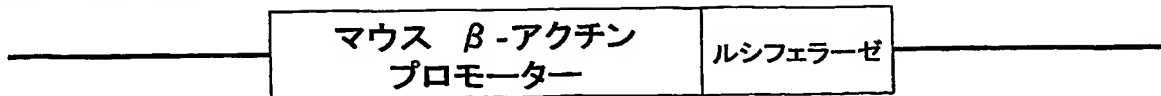
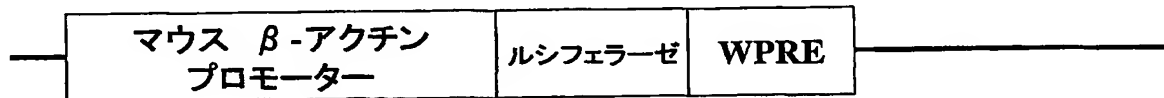
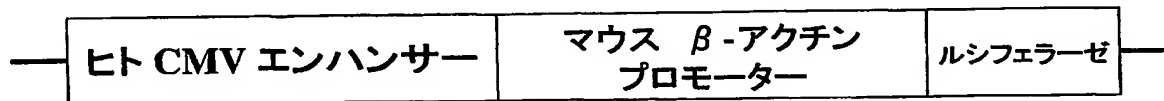
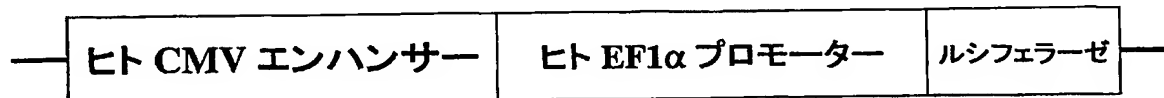
<400> 39

ctttccacg cctacagcgc ccaccac

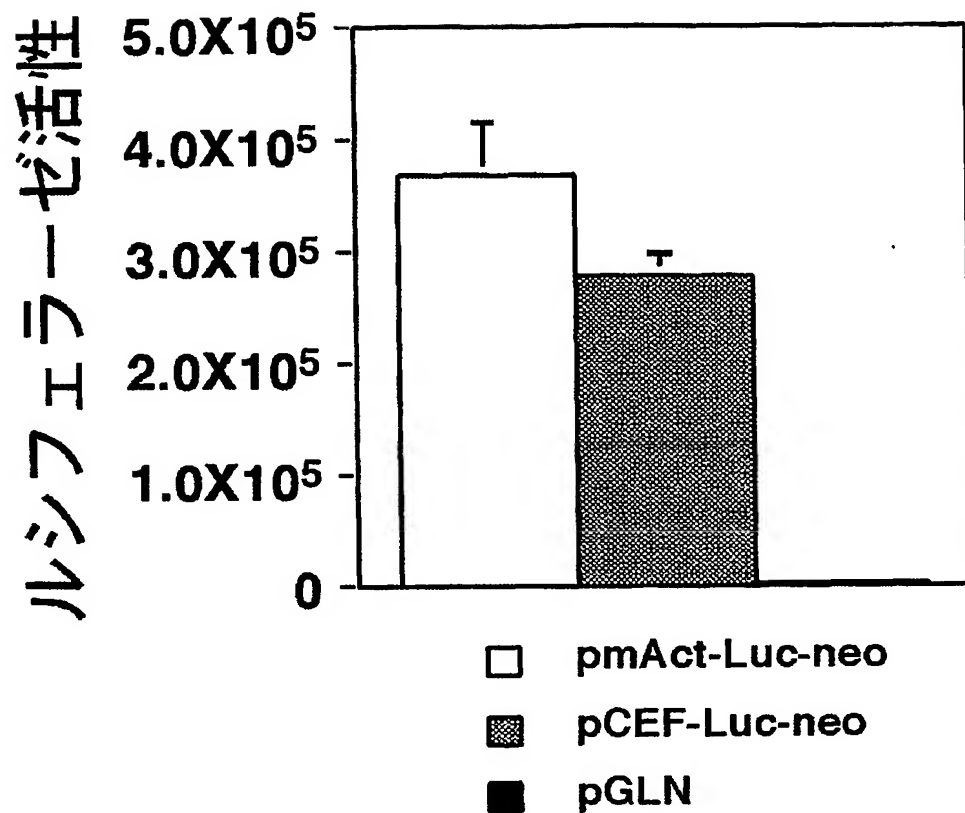
27

【書類名】 図面

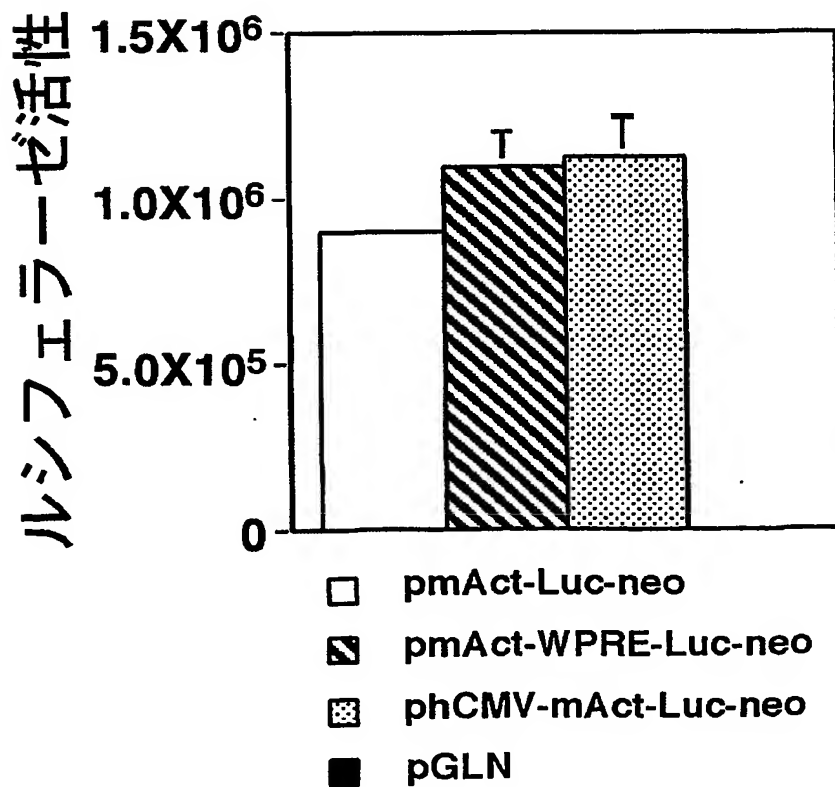
【図 1】

pmAct-Luc-neo**pmAct-WPRE-Luc-neo****phCMV-mAct-Luc-neo****pCEF-Luc-neo**

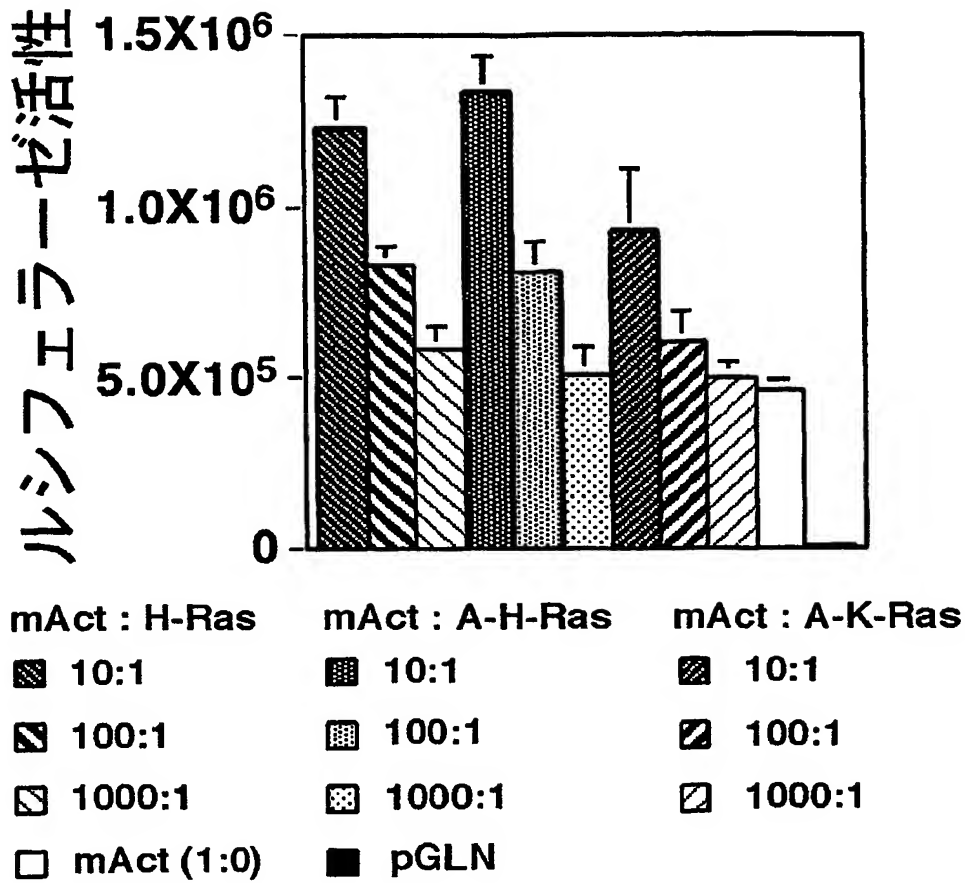
【図 2】



【図 3】



【図 4】



【書類名】 要約書

【要約】

【課題】 既存の動物細胞発現プロモーターよりも強力な発現プロモーターと、それを利用したベクターの提供、並びに、該ベクターを利用した所望タンパク質の製造方法および所望のDNAを発現させる方法の開発を目的とする。

【解決手段】 様々な遺伝子のプロモーターやエンハンサーの組み合わせによるプロモーター活性の比較、検討を行った結果、CMVエンハンサーと哺乳類 β アクチンプロモーター、もしくはWoodchuck Hepatitis Virusゲノム配列の転写後調節領域(WPRE)と哺乳類 β アクチンプロモーターを組み合わせたハイブリッドプロモーターが、既存のプロモーターよりも強力であることを見出した。さらに、この β アクチンプロモーターは、トランスアクティベーターである癌遺伝子産物のRasの同時発現によって、活性が高められることを見出した。

【選択図】 なし

特願 2 0 0 3 - 4 0 5 2 6 9

出 願 人 履 歴 情 報

識別番号

[0 0 0 0 0 3 3 1 1]

1. 変更年月日

1 9 9 0 年 9 月 5 日

[変更理由]

新規登録

住 所

東京都北区浮間 5 丁目 5 番 1 号

氏 名

中外製薬株式会社

Document made available under the Patent Cooperation Treaty (PCT)

International application number: PCT/JP04/018006

International filing date: 03 December 2004 (03.12.2004)

Document type: Certified copy of priority document

Document details: Country/Office: JP
Number: 2003-405269
Filing date: 03 December 2003 (03.12.2003)

Date of receipt at the International Bureau: 10 February 2005 (10.02.2005)

Remark: Priority document submitted or transmitted to the International Bureau in compliance with Rule 17.1(a) or (b)



World Intellectual Property Organization (WIPO) - Geneva, Switzerland
Organisation Mondiale de la Propriété Intellectuelle (OMPI) - Genève, Suisse

**This Page is Inserted by IFW Indexing and Scanning
Operations and is not part of the Official Record**

BEST AVAILABLE IMAGES

Defective images within this document are accurate representations of the original documents submitted by the applicant.

Defects in the images include but are not limited to the items checked:

- ☐ BLACK BORDERS
- ☒ IMAGE CUT OFF AT TOP, BOTTOM OR SIDES
- ☒ FADED TEXT OR DRAWING
- ☒ BLURRED OR ILLEGIBLE TEXT OR DRAWING
- ☐ SKEWED/SLANTED IMAGES
- ☐ COLOR OR BLACK AND WHITE PHOTOGRAPHS
- ☒ GRAY SCALE DOCUMENTS
- ☐ LINES OR MARKS ON ORIGINAL DOCUMENT
- ☐ REFERENCE(S) OR EXHIBIT(S) SUBMITTED ARE POOR QUALITY
- ☐ OTHER: _____

IMAGES ARE BEST AVAILABLE COPY.

As rescanning these documents will not correct the image problems checked, please do not report these problems to the IFW Image Problem Mailbox.